

ويوجد ثلاثة أنواع من الحامض النووي **RNA** وهي:-

- الحامض النووي الرسول mRNA** ويقوم بنقل الشفرة الوراثية من الجينات في النواة إلى الرايبوسومات، ليتم تصنيع البروتينات المختلفة داخل السيتوبلازم.
- الحامض النووي الناقل tRNA** ويقوم بنقل الأحماض الأمينية في السيتوسول إلى الرايبوسومات لاستخدامها في عملية بناء البروتينات.
- الحامض النووي الرايبوسومي rRNA** يستخدم في إنتاج الرايبوسومات في النوية داخل الخلية.

و قبل التطرق بشئ من التفصيل إلى وظيفة تلك الأنواع من الأحماض النووية، يجب معرفة اهم الفروقات بين تلك الأحماض (الجدول ٣).

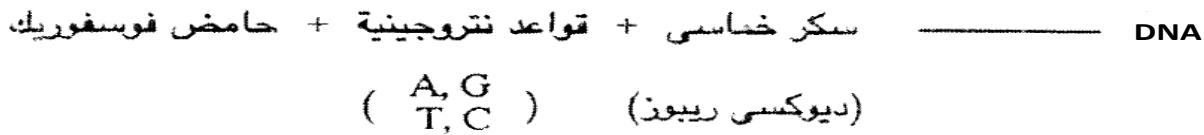
جدول ٣: الفرق بين الحامض النووي **DNA** والحامض النووي **RNA**

الحامض النووي RNA	الحامض النووي DNA	وجه المقارنة
النواة والسيتوبلازم	النواة بشكل رئيسي ويتوارد بشكل بسيط في والميتوكوندريا والكلوروبلاست	وجوده
يساعد DNA في الوظيفة	المادة الوراثية ومكون للكرنوموسومات	الوظيفة
١. الحامض النووي الرسول mRNA ٢. الحامض النووي الناقل tRNA ٣. الحامض النووي الرايبوسومي rRNA	ليس له أنواع	أنواعه
الرايبوز	الديوكسي رايبوز	السكر الخامس
الأدينين - البيراسييل - الكوانين - السايتوسين	الأدينين - الثايمين - الكوانين - السايتوسين	القواعد النيتروجينية
يتكون من خيط واحد من النكليوتايدات المتعددة	ثنائي حلزوني الشكل (Double helix) ويكون من سلسلتين من متعدد النكليوتايدات	الشكل

تعد الأحماض النووية من الجزيئات الكبيرة الحجم نسبياً وذات أهمية بيولوجية قصوى. تحتوي معظم الكائنات الحية على كميات متقاومة من الأحماض النووية بنوعيها DNA و RNA في حين أن بعض الفايروسات لا يوجد بها الا DNA والبعض الآخر لا يحتوي إلا على RNA فقط. يوجد DNA في الكائنات الحقيقية النواة (Eukaryotic) داخل النواة في حين يتكون RNA في النواة ثم يمر منها إلى السيتوبلازم حيث يتم بناء البروتين على الرايبوسومات.

يتكون جزيء الحامض النووي من سكر خماسي (رايبوز في حالة RNA ، وديوكسي رايبوز في حالة الـ DNA) وحامض الفوسفوريك وقواعد نتروجينية وهي اما من نوع الببورين (Purine) مثل أدينين adenine (A) وكوانين guanine (G) وهي ثنائية الحلقة او من نوع البايريميدين (Pyrimidine) مثل السايتوسين Cytosine (C) والثايمين Thymine (T) وهي احادية الحلقة. وكذلك البيراسييل uracil (U) في حالة RNA.

يؤدي التحليل المائي الكامل لجزيء DNA إلى :-



يعتبر الـ DNA من المكونات الأساسية للكروموسومات وهو يمثل المادة الوراثية لمعظم الكائنات الحية، وهو المادة الموجهة لعمليات إنتقال الصفات الوراثية من الآباء إلى الذرية، لذلك يعد المخزن الرئيسي للمعلومات الوراثية وان لهذا الجزيء القدرة على مضاعفة نفسه (Self-duplication) بنفس تركيبه السابق. ويتم استنساخ (Transcription) المعلومات الوراثية الموجودة في جزيء DNA إلى استنساخ (Copies) من RNA الذي يحتوي تتابع نيوكلتيداته على الشفرات "الثلاثية الأحرف" الخاصة بتناسب الأحماض الأمينية عندما يتم بناء البروتينات في عملية تعرف بالترجمة (Translation) لهذه الشفرات. يطلق على تتابع أو سير هذه الأحداث **البيولوجية الهامة اسم المبدأ المركزي (Central Dogma)** ويمكن تلخيصها كالتالي:-

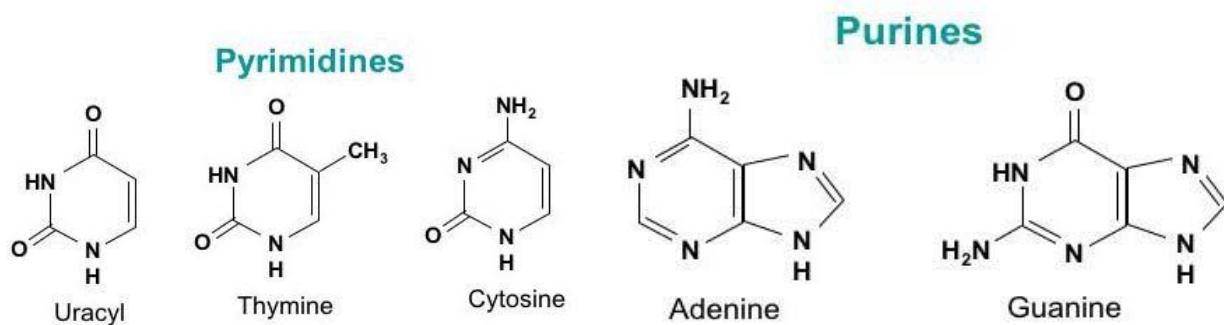
Replication



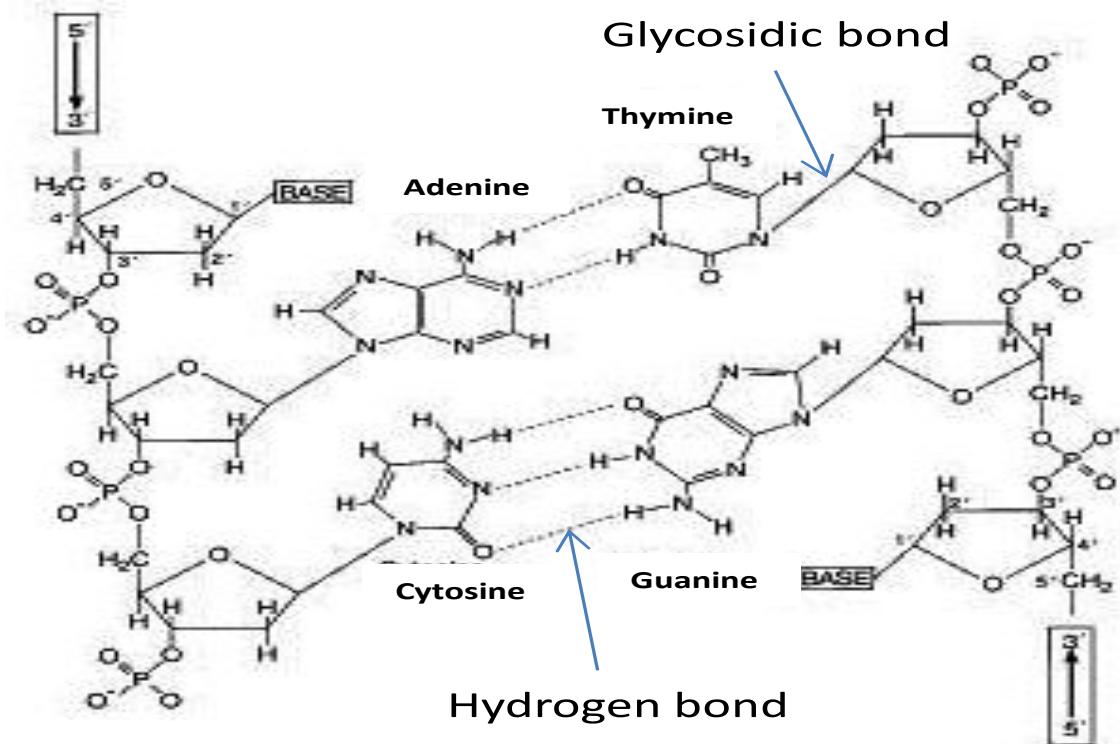
حيث يشير السهم الدائري حول DNA إلى قدرته على التناسخ الذاتي، في حين يتم استنساخ جزيء RNA على قالب من DNA وتم عملية بناء البروتين بالاعتماد على تتابع القواعد (الشفرات) في جزيء DNA التي يقال لها أنها تترجم إلى تتابع مقابل من الأحماض الأمينية التي يتم ربطها على الرايبوسوم بروابط بيتيدية.

وفي عام ١٩٥٣ ، قدم البيولوجي James Watson (الأمريكي) وفرنسيس Crick (البريطاني) بالتعاون مع عالم الفيزياء الحيوية Maurice Wilkins (النيوزلندي) في جامعة كامبريدج في إنجلترا نموذجاً يوضح التركيب الجزيئي لحامض DNA . وحسب هذا النموذج تترتب النكليوتيدات على صورة شريطين two strands متكملين complementary ويلتفان حول بعضهما فيكونان حلزوناً مزدوجاً طويلاً سمه ٢ نانومتر، وطول اللغة الكاملة منه ٣.٤ نانومتر ويكون جزيء الحامض من عدة آلاف من هذه اللفات.

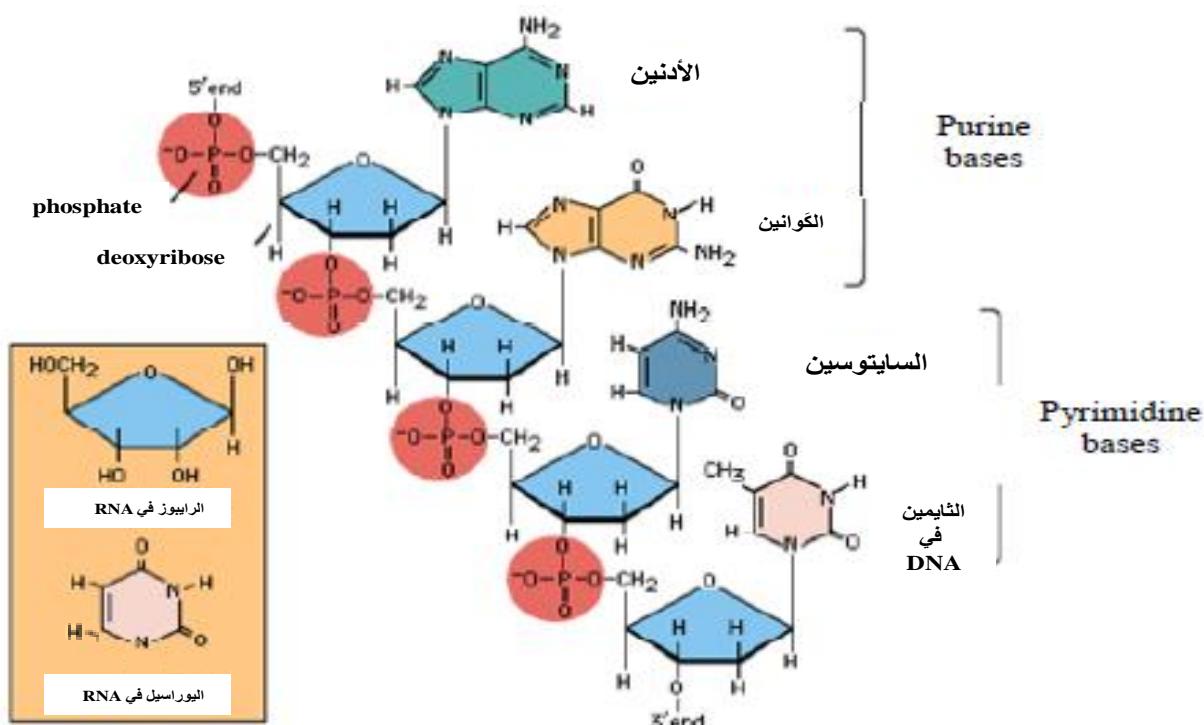
يتكون جزيء الحامض النووي من متعدد خطى من الوحدات البنيوية الأساسية التي يطلق على كل منها نيوكليلوتايد Nucleotide و تتكون النيوكليلوتايد من: ١- مجموعة فوسفاتية ٢- وسكر خماسي ٣- قاعدة نايتروجينية والتي تكون على طرازين: أحدهما هو البيورينات Purines وهي مركبات عضوية ثنائية الحلقات وهي الأدنين Adenine والكوانين Guanine، أما الطراز الثاني فهو البيريميدينات Pyrimidines وهي مركبات عضوية أحادية الحلقة وهي الثايمين Thymine والسايتوسين Cytosine (شكل ٩) وترتبط النكليلوتايدات مع بعضها بروابط فوسفو ايسترية ثنائية (شكل ١٠) و تصل هذه الرابطة ذرة كربون رقم ٥ في السكر الخماسي للنيوكليوتايدة التالية لها. وعلى ذلك فإن الهيكل الأساسي للحامض النووي DNA يتكون من تعاقب السكر الخماسي مع حامض الفوسفوريك في حين تتصل القواعد النيتروجينية بهذا السكر برابطة **كلايوكسيدية** (glycosidic bond) كما في الشكل ١٠ و ١١. لذا فمن الممكن تكوين عديد النكليلوتايدات بأي طول كان. وأن النكليلوتايدات يمكنها أن ترتبط مع بعضها بأي طراز. ومهما كان طول هذه السلسلة فلها نهايتين، النهاية الخامسة 5`end والتي لها ذرة الكربون الخامسة والنهاية الثالثة The 3`end والتي لها ذرة الكربون الثالثة والتي لا ترتبط بنوكليوتايد آخر.



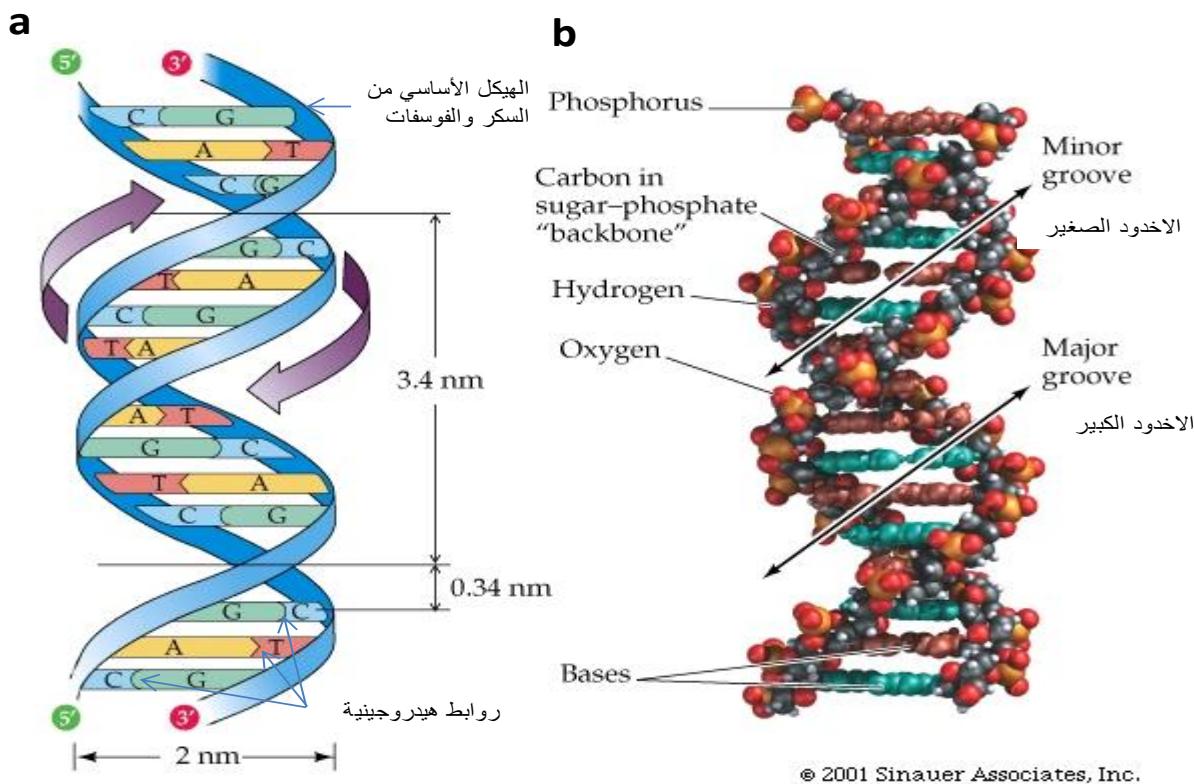
شكل ٩: انواع القواعد النيتروجينية المختلفة الموجودة في النوكليوتايدات والتي هي الوحدات البنيوية الأساسية التي يتكون منها جزيء الحامض النووي DNA.



شكل 10: الهيكل الأساسي للحامض النووي.DNA



شكل 11: التركيب الجزيئي للمادة الوراثية في شريط.DNA



شكل 12: نموذج الحزون المزدوج لجزيء DNA. تترافق (تلتف) سلسلتان متكاملتان في تتابعات النكليوتيدات ومتضادتان في الاتجاه على شكل حزون مزدوج يمثّي الدورة. حيث شكل a يمثل رسمًا تخطيطيًّا للنموذج والشكل b يمثل نموذجاً فراغياً.

قاعدة شاراجاف Charagaff لترافق القواعد النيتروجينية:-

قام شاراجاف عام ١٩٤٩ - ١٩٥٣ بتحليل محتوى جزيء DNA من القواعد النيتروجينية في عدد كبير من الكائنات الحية المختلفة (الجدول ٤) وقد وجد أن القواعد الأربع لا توجد بكميات متساوية كما أن نسبتها تختلف من نوع من الكائنات إلى النوع الآخر مما أدى إلى الاعتقاد بان تابع القواعد النيتروجينية في جزيء DNA أكثر أهمية من كمياتها أو مقدارها في تحديد خصائصها الوراثية.

جدول ٤ : البيانات التي أدت إلى استنباط قاعدة شاراجاف.

Purine/Pyrimidine	نسب القواعد				مصدر DNA
	G/C	A/T	T/C	A/G	
1.10	1.00	1.04	1.43	1.29	الثور
1.00	1.00	1.00	1.75	1.56	الإنسان
0.99	0.91	1.06	1.29	1.45	الدجاجة
1.02	1.02	1.02	1.43	1.43	سمك السالمون
0.99	0.97	1.00	1.18	1.22	نبات القمح
1.00	1.20	1.03	1.92	1.67	فطر الخميرة
1.00	0.91	1.07	1.54	1.74	فيروس الانفلونزا

1.00	0.99	1.09	0.95	1.05	بكتيريا القولون (K_2)
1.10	1.08	1.09	0.40	0.40	البكتيريا السببية

كما ثبتت نتائج شاراجاف أيضاً أن نسب القواعد النيتروجينية الأربع ليست عشوائية على الإطلاق حيث تبين أن كمية الأدينين (A) في جميع العينات تساوي كمية التايمين (T) في حين تساوت كمية السايتوسين (C) مع كمية الكوانين (G). وقد ساعدت هذه القاعدة البيولوجية الهامة في فهم التركيب الثلاثي الأبعاد (المُجَسّم) لجزيء DNA في الحزون المزدوج.

مواصفات الحامض النووي :- DNA Characteristics

تم التعرف على معلومات هامة عن تركيب الحامض النووي DNA عن طريق حيود أشعة أكس-X-ray diffraction أي انحراف أشعة أكس إنحرافاً ضئيلاً عند مرورها بحافة الحامض النووي كما ذكر العالمان روزالين فرانكلين Rosalind Franklin وويلكنز Wilkins بتحليل صور انحراف أشعة X لجزئيات DNA في فترة من ١٩٥٠ - ١٩٥٢ لتوضيح نموذج الحزون المزدوج لجزيء DNA Double Helix (DNA). فحيود أشعة أكس هي بمثابة طريقة فعالة لتقدير المسافات بين الذرات الموجودة في جزيئات متراصة بانتظام (تركيب متعاقب من البلورات). ولأشعة أكس طول موجة قصير جداً لدرجة أنها تتبعثر بواسطة الإلكترونات المغلفة للذرة في الجزيء. والذرات التي لها سحابة إلكترونية كثيفة مثل الفوسفور Phosphorus والأوكسجين Oxygen تسبب انحراف الأشعة بقوة أكبر مقارنة بالذرات ذات العدد الذري الأقل.

من المعروف أنه عند تعريض التركيب البلوري للحامض النووي أشعة أكس المكثفة يحدث أن يسبب التركيب المنتظم للذرات في البلورة إلى حيود أشعة أكس أو إلتوائها في اتجاهات معينة. ونظام حيود أشعة أكس هذا يمكن رؤيته في فيلم ضوئي (فيلم تصوير) نقاط معتمه (شكل ٤). وعن طريق التحليل الرياضي Mathematical analysis لترتيب النقاط المعتمة والمسافة بينها يمكن ان يستخدم لتقدير المسافة بين الذرات واتجاه هذه الذرات داخل الجزيء بدقة كاملة.

وعندما سعى العالمان واطسون وكريك لحل مشكلة تركيب الحامض النووي DNA كانت روزاليند فرانكلين قد صورت بالفعل عن طريق أشعة أكس X-ray فليماً لنموذج الحامض النووي DNA والصورة أظهرت بوضوح أن الحامض النووي DNA عبارة عن تركيب حلزوني الشكل، وأن هناك ثلاثة أنواع هامة من النماذج المنتظمة والمترابطة في الجزيء والتي لها أبعاد ٣.٤ نانومتر، ٢ نانومتر. ومن هذا النموذج توصلت فرانكلين إلى أن القواعد النيوكليوتيدية Nucleotide bases (والتي هي عبارة عن جزيئات مسطحة) هي عبارة عن رفوف متراصة فوق بعض مثل درجات السلالم المتراصة فوق بعضها. وباستخدام هذه المعلومة بدأ العالمان واطسون وكريك بوضع عدة نماذج لمكونات الحامض النووي DNA مع محاولة توفيقهم مع بعض ليتفقوا مع البيانات المأخوذة من تجارب روزاليند فرانكلين. وبعد عدة تجارب قاما العالمان بوضع نموذج للحامض النووي DNA يتكون من سلسلتين من عديد النيوكليوتيد two nucleotide chains يتلقىون حول بعضهما في صورة حلزون مزدوج. ونجد أيضاً أن السكر والفوسفات المكونين للعمود الفقري للسلسلتين يكونا الجدار الخارجي للحزون، أما القواعد المتصلة بكلتا السلسلتين فتوجد في الوسط.

وفي نفس الوقت أمكن تحديد الروابط الفوسفواستيرية الثنائية التي تربط بانتظام بين النكليوتايدات في سلسلة DNA كما كان لقاعدة إرون شاراجاف (Erwin chargaff) اهمية كبيرة في التوصل إلى معرفة العلاقة بين القواعد النيتروجينية في جزيء DNA ذو التركيب الحلزوني المزدوج. أدى ذلك وغيره من الأبحاث إلى إعلان واتسون Watson وكرick Crick عام ١٩٥٣ عن نموذج الحلزون المزدوج لتفسير تركيب جزيء DNA بحيث توفرت في هذا النموذج الخواص والشروط المطلوبة للمادة الوراثية.

يتكون جزيء DNA حسب هذا النموذج من سلسلتين متكاملتين من متعددات النكليوتايدات ملتفة أو متحزنة كل حول الأخرى بانتظام في شكل لولب مزدوج يمени الإتجاه. وت تكون كل سلسلة في هذا الحلزون من عديد من النكليوتايدات المرتبطة بروابط فوسفواستيرية ثنائية بين السكر والفسفات في حين ترتبط القواعد النيتروجينية بالسكر برابطة كلايوكسيدية (glycosidic bond) وتكون متعامدة على المحور الأساسي للجزيء موجودة إلى الداخل بحيث تقابل القواعد النيتروجينية من أحدى السلسلتين مع القواعد المكملة لها في السلسلة المقابلة حسب قاعدة إرون شاراجاف (A=T,C=G). كذلك وجد أن القواعد النيتروجينية تكون مفاطحة واسطحها كارهة للماء مما يجعلها تتلاشى بقوى يطلق عليها قوى التراس (Stacking forces). ترتبط القواعد المقابلة بين السلسلتين بروابط هيدروجينية بحيث ترتبط G مع C بثلاث روابط هيدروجينية في حين ترتبط A مع T برابطتين فقط (شكل ١٣).

وقد وجد ان هذه التزاوجات بين القواعد هي الوحيدة الممكنة نظراً لأن تقابل قاعدتين من نوع البيورين (ثنائية الحلقة وكبيرة الحجم نسبياً) سيحتل فراغاً كبيراً بحيث لا يسمح بتكوين حلزون منتظم ومن جهة أخرى سيؤدي تقابل قاعدتين من نوع البيرimidين معاً إلى شغل فراغ صغير نسبياً مما يؤدي إلى خلخلة غير مرغوبة في الحلزون.

References

1. Kary B. Mullis. 1990. The Unusual Origin of the Polymerase Chain Reaction. 262(4): 56-65.
2. Kenshi Hayashi, Kary B. Mullis, François Ferré, Richard A. Gibbs. 1994. The Polymerase Chain Reaction Birkhäuser Basel. P, 464.
3. Zahra M Alkhafaji and Hassan M Abu-Almaali. 2013. PCRing and Primer Design. University of Baghdad, Baghdad. P, 304.
4. Mahmood M. Refaat and Saad B. Aloutabi. 2008. Introduction to Biotechnology. The General Egyptian Association of International Books and Documents, Cairo. P, 312
5. Elsahookie, M.M., and Ayoob O. Alfalahi. 2008. Polyploidy and its relationship with plant breeding and adaptation. The Iraqi J. Agric. Sci. 39(6):49-71.
6. Elsahookie, M.M., and Ayoob O. Alfalahi. 2008. TILLING: Modern technique combines traditional mutagenesis and functional genomics. The Iraqi J. Agric. Sci. 40(1):1-25.