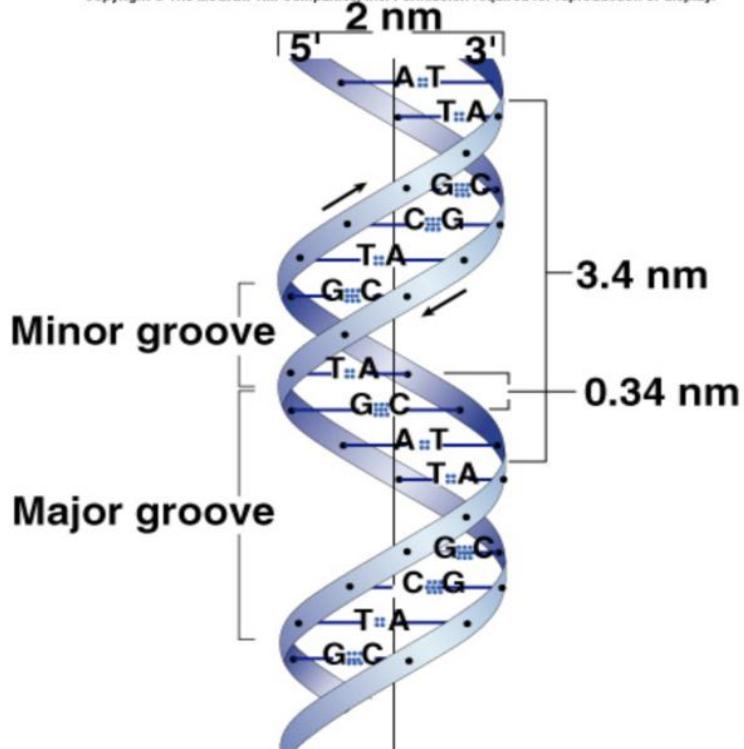
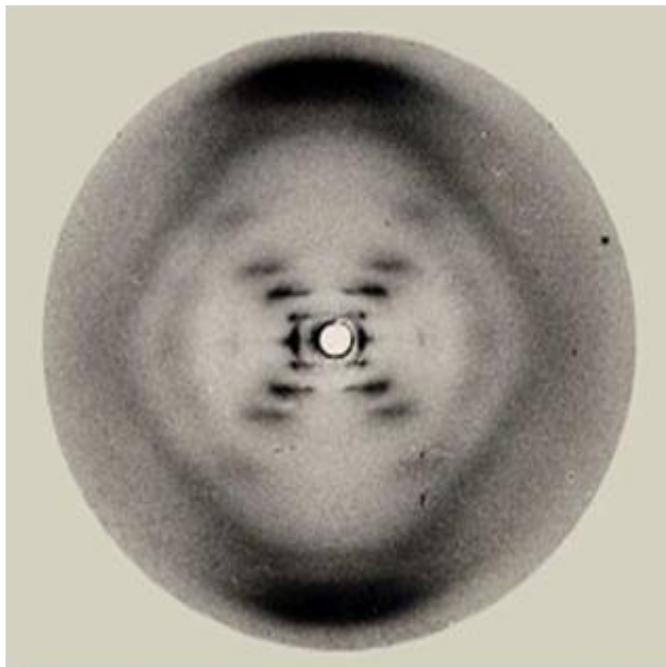


Copyright © The McGraw-Hill Companies, Inc. Permission required for reproduction or display.



الشكل 13: يوضح الاختلاف المترافق على طول المحور الأساسي لسلسلتي الحذون المزدوج

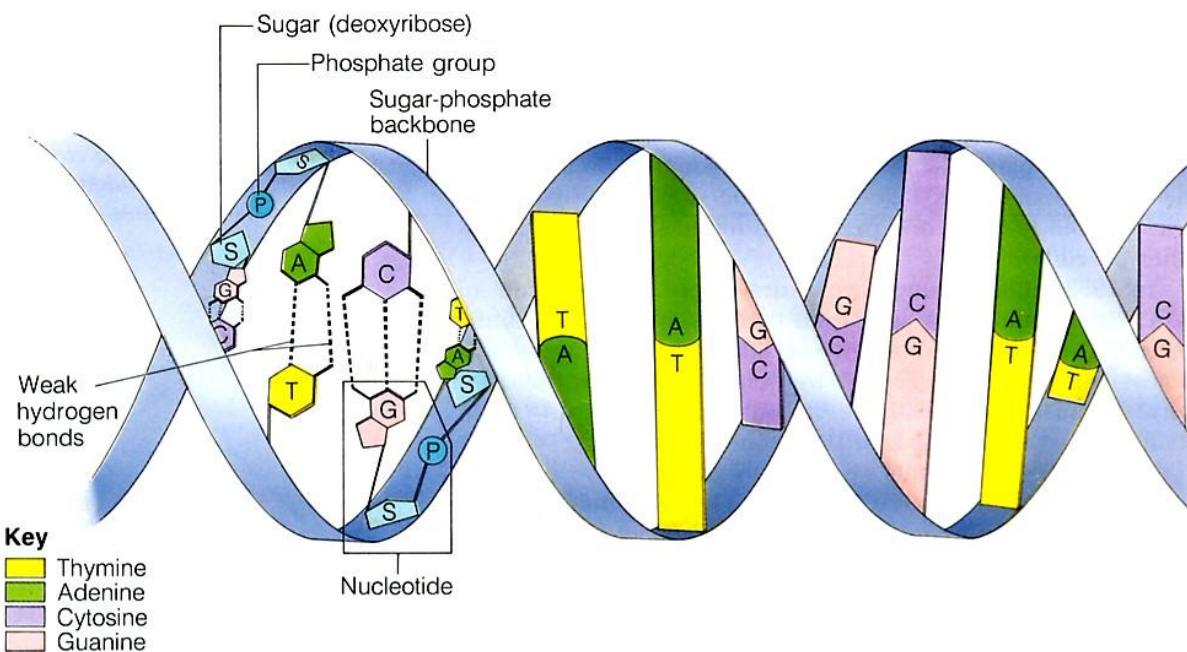


شكل 14: صورة انحراف الأشعة السينية بجزيء DNA حيث يدل الطراز المتقطع في الوسط على أن جزيء DNA يأخذ شكل اللولب أو الحذون بينما تدل المناطق الكثيفة في قمة وقاعدة الصورة على ان القواعد البيريميدينية (pyrimidines) ٣٤ والبيورينية (purines) بسمك نانوميتر وتترافق بانتظام متغيرة ومتعددة على محور الحذون.

يؤدي التقيد بقاعدة تزاوج القواعد هذه Base Pairing Rule إلى وجود علاقة تكامل صارمة بين تتابع القواعد بين السلاسلتين في الحذون المزدوج. فمثلاً إذا كان لدينا:



يتربّ على حتمية التزاوج بين A , G , T , C أنه لابد أن تكون الروابط الفوسفواستيرية الثنائية للسلاسلتين موجهة في اتجاهين متضادين Antiparallel وعلى ذلك فإن الحذون المزدوج إذا انقلب بواقع ١٨٠ درجة فإنه سيبدو ظاهرياً مطابق للحذون الأصلي (شكل ١٣).



شكل ١٥: نموذج الحذون المزدوج. يظهر الهيكل الفوسفورني ثلاثي كشريط في حين تترافق القواعد النيتروجينية على بعضها متعامدة على المحور الطويل للحذون.

وقد تبيّن أن الروابط الكلايوكسيدية التي تربط القواعد بالسكر لا تكون مواجهة لبعضها البعض بالضبط مما يؤدي إلى أن الهيكل الأساسي (سكر - فوسفات) لسلسلتي الحذون المزدوج لا يكونان على مسافات متساوية من محور الحذون وبذلك يكون الاخدودان المتكونان على طول المحور الأساسي غير متساويان في الحجم (العمق) (لاحظ شكل ١٣). فيكون اخدود عميق يسمى الاخدود الكبير أو الرئيسي (Major groove) بالتباوب مع اخدود أقل عمقاً يسمى الاخدود الصغير (Minor groove).

تكون أرضية الاخدود الكبير مملوءة بذرات النيتروجين والاوكسجين التي تخص أزواج القواعد التي تعلوه والتي تمتد إلى الداخل من الهيكل الأساسي الخاص بها. وعلى العكس من ذلك نجد أن أرضية الاخدود الصغير تكون مملوءة بذرات النيتروجين والاوكسجين للقواعد والتي تمتد إلى الخارج في اتجاه الهيكل الأساسي.

وقد تبين ان إمكانات حدوث روابط هيدروجينية في الأخدود الكبير تؤدي إلى امكان زيادة الإعتماد عليه في التعرف على تتابع القواعد في جزء DNA عما في الأخدود الصغير.

وقد ادت هذه الحقيقة إلى التكهن بان بعض البروتينات المتخصصة (مثل البروتين المثبط Repressor أو المحفز Promotor) التي تتفاعل وترتبط مع تتابعات معينة على جزء DNA عن طريق تكوين روابط هيدروجينية مع مجاميع معينة توجد على الأغلب في الأخدود الكبير.

### خواص الأحماض النووية Properties of Nucleic Acid

تمتص القواعد النيتروجينية من نوع البيورين والبيريميدين الموجودة في الأحماض النووية **الأشعة فوق البنفسجية** بدرجة كبيرة عند موجة ذات طول 260 نانومتر. وتستخدم هذه الخاصية لتقدير هذه القواعد النيتروجينية كمياً من خلال تقدير نيوكليوتيداتها وأيضاً الأحماض النووية الداخلة في تركيبها. وعلى كل حال، فإن للحامض النووي DNA معامل امتصاص نوعي عند طول الموجة 260 نانومتر لكنه يقل بمقدار حوالي 35 - 40 % عن معامل الامتصاص النوعي المتوقع من

حاصل جمع الامتصاص لكل قاعدة (على حدة) من القواعد الداخلة بتركيب الحامض النووي DNA. وهذه النظرية تسمى **بنظرية التأثير الهيبوكرومی Hypochromic Influence Theory**. وهنا الإنخفاض في درجة الامتصاص النوعي للأشعة فوق البنفسجية بالنسبة للقواعد النيتروجينية المتحدة بجزيئات الحامض النووي DNA عن نظيرتها الحرجة يرجع ذلك لتكوين روابط هيدروجينية بين القواعد النيتروجينية المترابطة الواحدة فوق الأخرى في كل من السلاسلين الحلزونيتين للحامض النووي DNA. وهذه الخاصية مفيدة في تقدير درجة حلزنة Helicity الحامض النووي DNA.

وعند تسخين الحامض النووي DNA المبلمر بدرجة كبيرة لكن ببطء فإن السلاسلين الحلزوني الشكل تبتعدان عن بعضهما وتسمى عملية الإبعاد هذه بعملية إنفصال أو تشتيت السلاسلين Melting. وهذا التحول من الشكل الحلزوني ذو السلاسلين إلى أي شكل عشوائي يحدث من خلال رفع درجة الحرارة ونتيجة لهذا التحول تزداد درجة الامتصاص النوعي. وتسمى درجة الحرارة التي يحدث عنها الزيادة المفاجئة في الامتصاص للأشعة فوق البنفسجية **درجة حرارة الإنفصال Melting temperature Tm** للحامض النووي. وكل نوع من أنواع الحوامض النووية DNA درجة Tm خاصة به. أما عند إعادة تبريد محلول ببطء فإنه يحدث إعادة لتكوين الشكل الحلزوني ذو السلاسلين مع إمكانية حدوث تبادل بين السلاسل وتسمى هذه العملية **Annealing** بالإنجام.

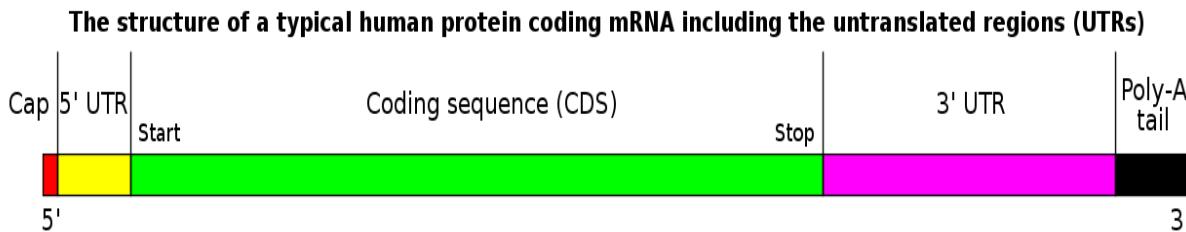
### تركيب وتنظيم الجين Gene Structure and Regulation

لكي يعبر الجين عن نفسه وراثياً أي يستنسخ الجين نفسه ويكون صورة على شكل الحامض النووي mRNA ليتم ترجمتها على الرابيوزومات لتكوين البروتين اللازم لإظهار صفة نباتية معينة يجب أن يتكون هذا الجين من ثلاثة مناطق:

1. المنطقة الأولى: وتسمى تسلسل المحفز Promoter sequence وهي تساعد في تحديد توقيت عمل الجين وموقع تعبير الجين فهي بمثابة شفرة للجين نفسه وتحدد مكان بدء استنساخ الحامض النووي الرسول mRNA (شكل ١٧).

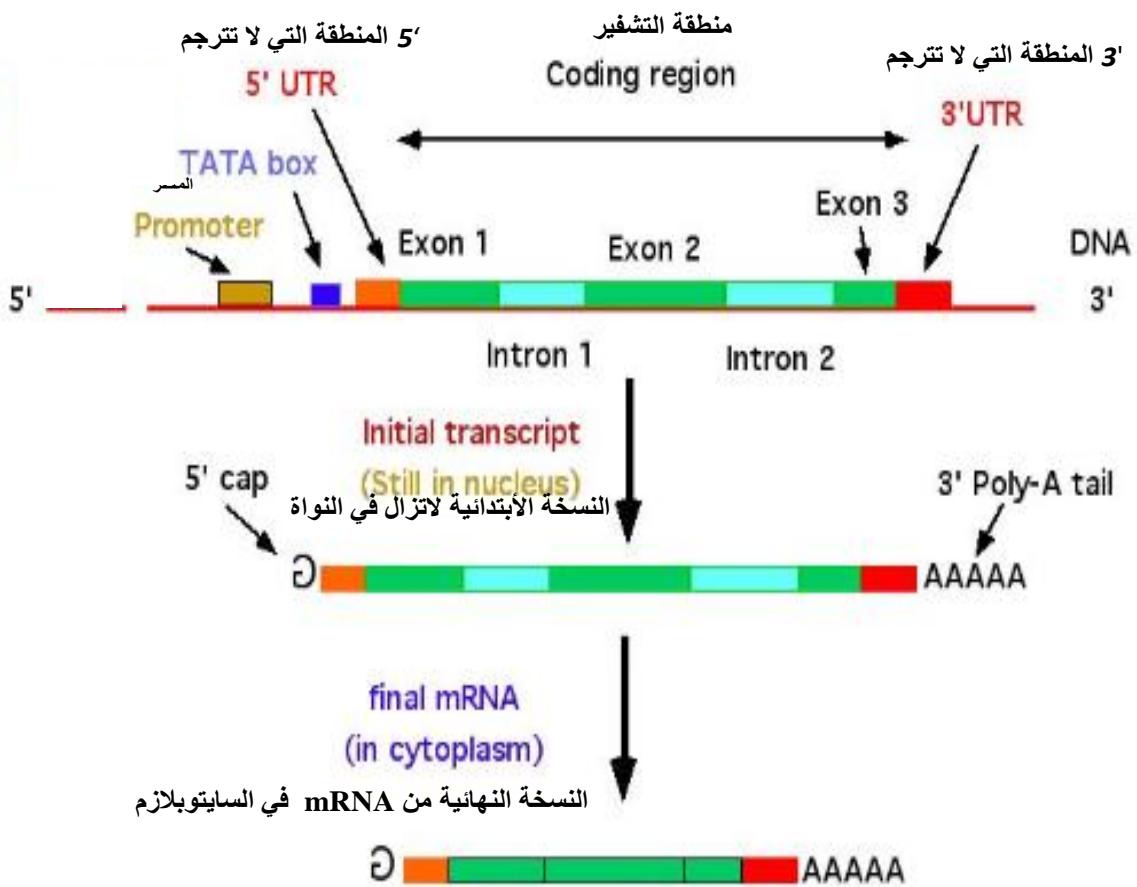
٢. المنطقة الثانية هي منطقة التشفير **Coding region**: وهي تحمل معلومات تحدد طبيعة البروتين الذي يشفّر الجين التركيبي **Structural gene** (شكل ١٦).

٣. المنطقة الثالثة والتي يطلق عليها منطقة الأدينين المتعدد (Poly-A tail) Polyadenylation وهي المسؤولة عن إنهاء عمل استنساخة الحامض النووي الرسول mRNA على الوجه الصحيح وكإن تقول للجين إنها عملية الاستنساخ هنا، ولذا تسمى Stop codon.



شكل ١٦: تركيب mRNA.

ولحسن الحظ أن أمام المتخصصين في الهندسة الوراثية حرية واسعة في مزج هذه المناطق والمواومة بينها وتجميعها من جينات مختلفة لتنتج ما يسمى **بالجينات الكيميرية أو الخليطة (Chimeric genes)** وبذلك أمكن للمتخصصين في الهندسة الوراثية إختبار محفزات متباعدة، فالممكنهم توجيه تعبير الجين إلى أعضاء بذاتها مثل الأوراق أو البذور أو الجذور أو الدرنات بل إلى أنماط بذاتها من الخلايا داخل النسيج الواحد. فقد يصمم الجين الكيميري أو الخليط من جينات كائنات مختلفة فالمحفز من فايروس نباتي ومنطقة التشفير من بكتيريا *E. Coli* وموقع متعدد الأدينين Poly A من بكتيريا تعود إلى الجنس Agrobacterium ثم يتم الإيلاج في خلية نباتية تقوم باستنساخ الحامض النووي mRNA لترجمة الرابيوزومات Ribosomes لتنتج البروتينات التي هي هدف مصمم هذا الجين الكيميري.



شكل 17: تركيب الجين وإعادة تركيب RNA (RNA splicing).

لقد قسم الباحثون الجينات من حيث الوظيفة إلى ثلاثة أنواع وهي:

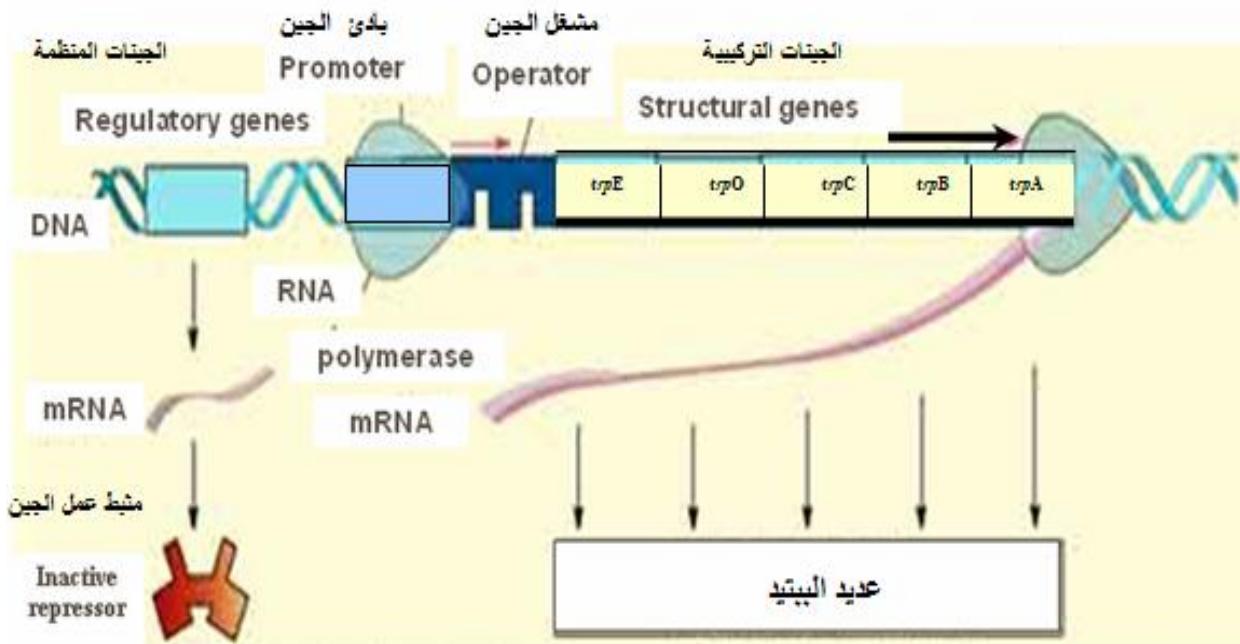
١. **Regulatory genes**: وهي الجينات المنظمة لعمل العديد من الجينات الأخرى والتي يطلق عليها اسم **الجينات العاملة أو المشغلة** (Operator genes).
٢. **Operator genes**: وهي الجينات العاملة التي تحكم في تشغيل وايقاف عدد كبير من الجينات الأخرى التي يطلق عليها **الجينات التركيبية** (Structural genes).
٣. **Structural genes**: وهي الجينات التركيبية والمسؤولة عن التركيب الخاص بالبروتينات أو ببروتين الإنزيم.

ولقد افترض ان السيطرة على نشاط (أو عمل) الجين التركيبى يكون عن طريق الجينات العاملة أو الفاعلة Operator genes حيث يتحكم في تشغيل أو إيقاف عمل عدد من الجينات التركيبية Structural genes والمسئولة عن إنتاج إنزيمات معينة تقوم بتفاعلاتها بเคมائية معينة في سلسلة من التفاعلات ينتج عنها في النهاية ظاهرة فسيولوجية معينة. ويتم ذلك بان يقوم الجين المنظم Regulatory gene بانتاج مثبط لعمل الجينات العاملة أو الفاعلة Operator genes ويطلق على هذا المثبط اسم القامع أو الكابح Repressor ويفترض ان يكون هذا المثبط عبارة عن بروتينات تقوم بمنع الجين العامل أو الفاعل من إتاحة الفرصة لإنزيم بلمرة الحامض النووي RNA من العمل وبالتالي لا يؤدي وظيفته. وقد أقترح أن ذلك يتم بطريقتين:

الأولى عند غياب المنشط يقوم المثبط بالالتصاق بمنطقة Operator فيمنع انزيم بلمرة الحامض النووي RNA من استنساخ DNA وبالتالي لا تتم الرسالة (لا يتم كوين الحامض النووي mRNA).

وإن الآلية الثانية هي أن المثبط يفقد قدرته على التثبيط في وجود المنشط .Effecter أي تتم عن طريق المنشط Effecter الذي يلغى قدرة المثبط عن العمل وبالتالي يصبح Operator genes حرًا تاركًا الجينات التركيبية Structural genes قادرة على العمل من خلال إصدارها الأوامر الخاصة بتكوين البروتين وهي الحامض النووي mRNA وبالتالي انتاج انزيمات متخصصة لإنتمام تفاعلات معينة أو ظهور ظاهرة فسيولوجية أو صفة أو تميز خلوي أو تكشف خلايا أو أنسجة معينة.

وهناك نظريه تفترض ان البروتين القاعدي المعروف بالهستون الذي يحتوي على نسبه كبيره في تركيبه على الحامضين الامينيين الارجينين واللايسين الموجود بالكرموسومات يعمل كماده مثبطه لفصل المادة الوراثيه اذا ما اتحد بها وبذلك ينظم عملها من المراحل الجينيه وحتى الموت.



شكل 18: تنظيم عمل الجين.

بشكل عام أن الجين Gene هو جزء صغير من DNA وهو بمثابة الحبات في المساحة، وللجينات لغة تخاطب بها الخلية حيث تنقل إليها رسائل تقرأها الخلية فتنفذ ما فيها من تعليمات وأوامر بدقة متناهية، فلغة الجينات تتتألف من أربعة حروف هي A, C, T, G السابق ذكرها. أما كلماتها فتتألف من ثلاثة حروف فقط من تلك الحروف الأربع ولذلك اللغة شفرات لكي تفهمها الخلية كعلامات الترقيم والفاصل بمعنى إبدأ من هنا ، توقف هنا. كما أن بعض الشفرات تعمل كاقواس بين الجمل ليست لها أهمية تسمى الإنترنونات Introns. وبعض أجزاء من DNA تعمل كمنظم لعمل الجين تعرف بالجينات المنظمة كما سبق ذكره. وتلك هي السينفونية الربانية التي تعرفها الخلية لتقوم

بوظائفها التي حدها الله في صورة هذا التسلسل والتتابع الدقيق للنيوكلويونucleotides فيما يعرف بالحامض النووي DNA. وترسل النواة رسالة إلى الخلية تسمى رسالة الحامض النووي mRNA ليتم ترجمتها

## References

1. Kary B. Mullis. 1990. The Unusual Origin of the Polymerase Chain Reaction. 262(4): 56-65.
2. Kenshi Hayashi, Kary B. Mullis, François Ferré, Richard A. Gibbs. 1994. The Polymerase Chain Reaction Birkhäuser Basel. P, 464.
3. Zahra M Alkhafaji and Hassan M Abu-Almaali. 2013. PCRing and Primer Design. University of Baghdad, Baghdad. P, 304.
4. Mahmood M. Refaat and Saad B. Aloutabi. 2008. Introduction to Biotechnology. The General Egyptian Association of International Books and Documents, Cairo. P, 312
5. Elsahookie, M.M., and Ayoob O. Alfalahi. 2008. Polyploidy and its relationship with plant breeding and adaptation. The Iraqi J. Agric. Sci. 39(6):49-71.
6. Elsahookie, M.M., and Ayoob O. Alfalahi. 2008. TILLING: Modern technique combines traditional mutagenesis and functional genomics. The Iraqi J. Agric. Sci. 40(1):1-25.