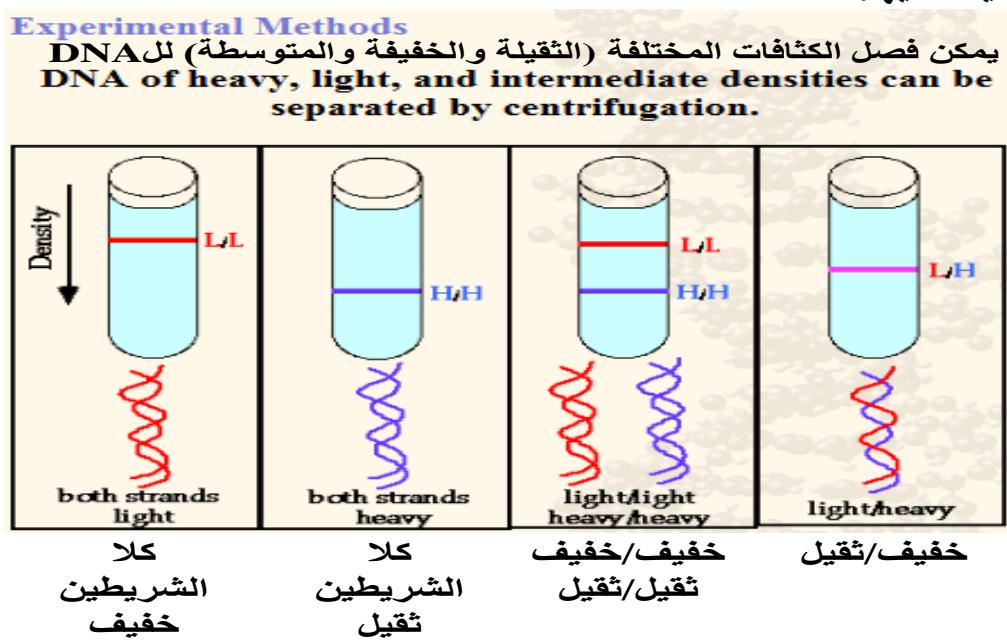
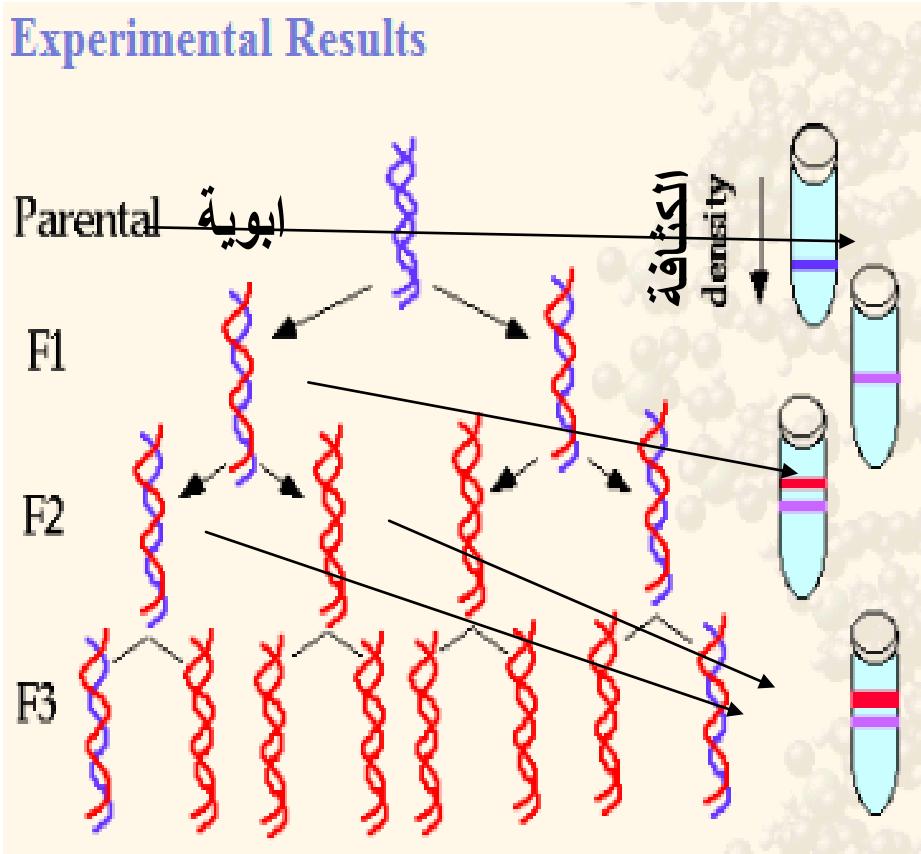


الثقيل (النظير المشع) N^{15} في تربية المزرعة البكتيرية لعدة اجيال حتى يتتأكد من أن كل ذرات النيتروجين في جزيء DNA معلمة بالنيتروجين الثقيل، وبعد ذلك تم نقل الخلايا البكتيرية إلى مزرعة تحتوي على النيتروجين العادي (الخفيف) N^{14} . ثم استخلص DNA من الخلايا على مدد زمنية مختلفة وتم اذابة DNA من كل مدة زمنية في محلول **كلوريد السبيزيوم** (Cesium chloride) وهو محلول ملحي ثقيل حيث يتم تقدير كثافته بواسطة الطرد المركزي الفائق السرعة (chloride) **Ultracentrifugation** في هذا المتدرج الكثافي (Density gradient) من محلول **كلوريد السبيزيوم** Cesium chloride (شكل 34).

وقد تبين انه بعد اول دورة (جيل) من الانقسام ظهرت قمة واحدة تمثل جزيء هجين ثقيل/خفيف (L/H) (Light/Heavy) نتيجة لتكوين الجزيء من سلسلة أصلية ثقيلة وسلسلة مكملة حديثة التكوين خفيفة. وفي الجيل الثاني ظهرت قمتين لجزيئات DNA واحدة تمثل **الهجين** (Light/Heavy) والأخرى تمثل **الخفيف فقط** (L/L) (Light/Light) كما في الشكل (35). يعكس ذلك بوضوح حتمية انفال السلاسلتين الأصليتين ثم استعمال كل سلسلة كقالب لبناء استنساخة جديدة عليها.



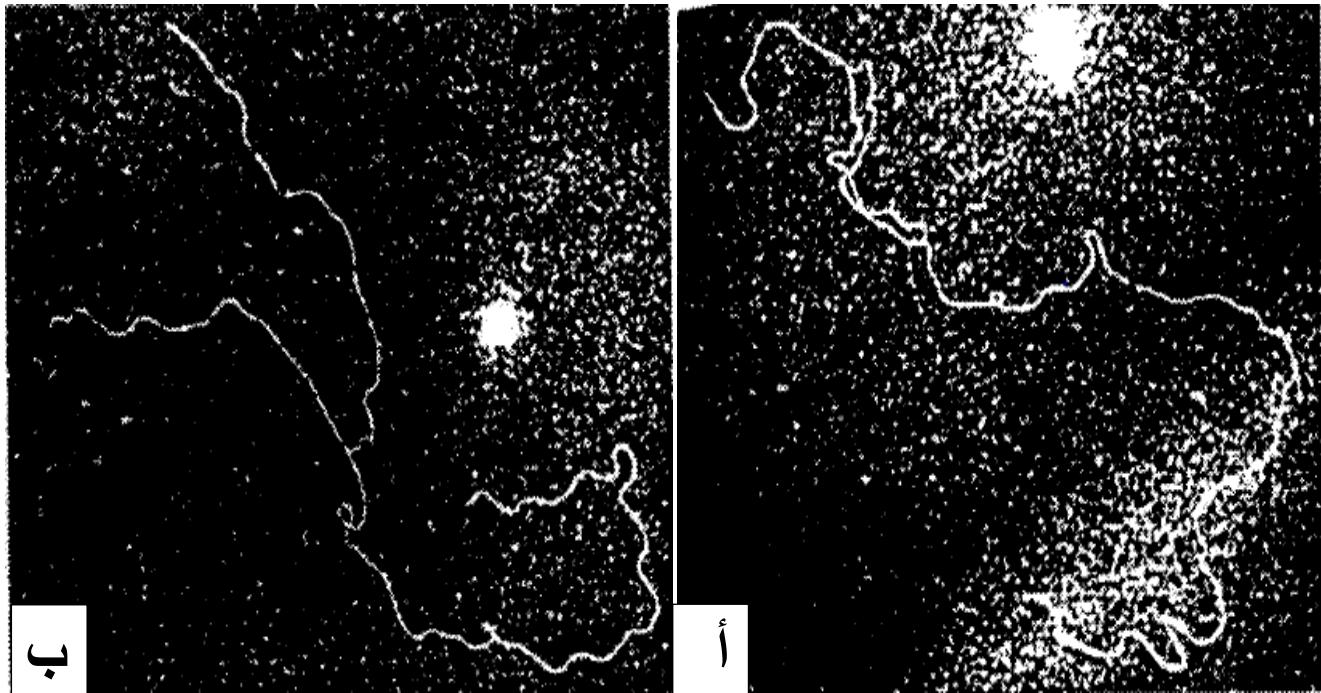
شكل ٣٤: يمكن فصل الكثافات المختلفة باستخدام محلول **كلوريد السبيزيوم** Cesium chloride



شكل ٣٥: الطريقة شبه المحافظة لتناسخ DNA في بكتيريا القولون وفي كروموسومات الخلايا حقيقية النواة. قام ميسيلسون وشتل بتعليم سلسلي DNA الأبوية لبكتيريا القولون بالنتروجين الثقيل وتم تحليل النتائج بتقنية الكثافة المتدرجة لمحلول كلوريد السيزيوم.

منشأ التنساخ :**Replication origin**

يكون بدء التنساخ من نقطة محددة تسمى منشأ التنساخ وتختلف نقطة بدء التنساخ تبعاً لنوع الكائن، فعلى سبيل المثال عند عزل الجزيء الخطي -DNA على فترات اثناء عملية التنساخ لفايروس الفاج T₇ وفحصه تحت المجهر الإلكتروني كان المتوقع أن تبدأ عملية التنساخ عند إحدى النهايتين أو عندهما معاً حيث أنه من السهل تخيل أن يبدأ انفصال السلسليتين عند الأطراف وليس في المناطق الداخلية للحذرون المزدوج. إلا أنه تبين أن التنساخ يبدأ في الحقيقة من الداخل ومن نقطة معينة تسمى نقطة منشأ التنساخ وقد وجد انه بالنسبة لهذا الفايروس تكون على مسافة حوالي ١٧٪ من بداية النهاية اليسرى للجزيء كما في الشكل 36 أ. وبمجرد أن يبدأ بناء جزيء DNA يستمر البناء في الاتجاهين مما يعطي شكل العين (-O-O-) التي لا تثبت أن تنمو لتأخذ شكل حرف Y (شكل 36 ب) (ومن هنا جاءت تسميتها شوكة التنساخ **Replication fork**). وتظل عملية التنساخ مستمرة حتى تصل الشوكة إلى نهاية جزيء DNA.



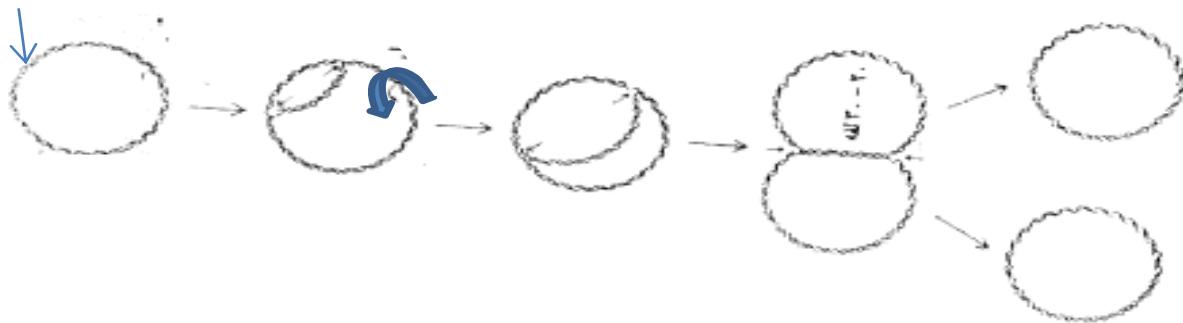
شكل ٣٦ : تنا藓 جزيء DNA للفاج T_7 . (أ) صورة بالمجهر الالكتروني لجزيء DNA للفاج T_7 الذي بدأ للتو في التنا藓 والذي تظهر به نقطة منشأ التنا藓 صغيرة تقع على مسافة ١٧٪ من النهاية اليسرى للخريطة الوراثية. (ب) مرحلة متقدمة من تنا藓 الجزيء الذي يظهر فيه شكل حرف Y نتيجة لوصول شوكة التنا藓 إلى نهاية الشوط.

أما في حالة جزيء DNA الحلقى كما في بكتيريا القولون لا يتحتم أن يتحوال الجزيء الحلقى إلى جزيء خطى (مستقيم) ولو بصورة مؤقتة. على العكس من ذلك وجد عند دراسة المراحل الوسطية لتناول الكثير من الجزيئات الحلقية من DNA أن السلسل الأبوية تحافظ على الشكل الحلقى طول فترة التنا藓. تظهر في مثل هذه الجزيئات أثناء تناخهما شكل (θ ثيتا) عندما تبدأ في تكوين نقطة منشأ التنا藓 (فقاعة التنا藓) عند نقطة البداية كما في شكل ٧٣. تنمو الفقاعة (الشوكة) في الاتجاهين المتضادين

ولكن كيف يتسمى جزيء حلقى مقول من DNA أن تنفك حلزنته أثناء التنا藓؟ وللإجابة على هذا السؤال:-

أمكن اكتشاف مجموعة من الإنزيمات يطلق عليها Topoisomerases تقوم بعملية فتح/غلق (nicking/closing) أو (كسر/لحام) لجزيء DNA بحيث تساعد إما على ازدياد درجة الحلزنة أو استرخاء الحلزون حسب طبيعة المرحلة التي يمر بها الجزيء (شكل ٣٧).

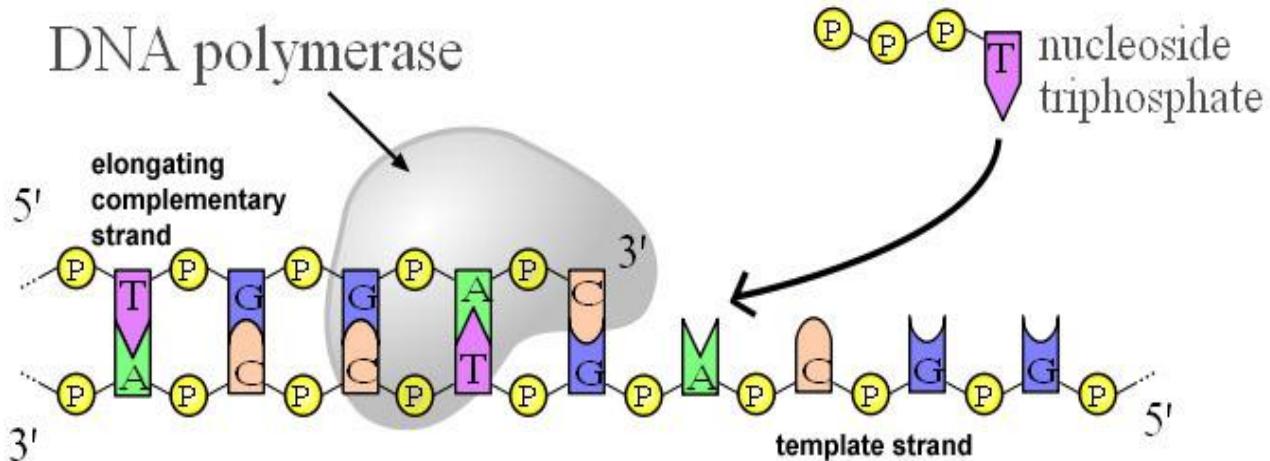
الدوران حول المحور منشأ التنساخ



شكل ٣٧: شكل مبسط للتنساخ ثانوي الإتجاه لجزيء DNA الحلقي.

اتجاه التنساخ:

يكون إتجاه التنساخ من '5' → '3' على كلا السلاسلتين: سبق وان ذكرنا ان السلاسلتين المشاركتين في جزيء DNA تكونان متضادتين في الإتجاه Antiparallel ويعني ذلك ان كلا السلاسلتين الجاري بناؤهما على كل من شوكتي التنساخ لابد أن يكونا في اتجاهين متضادين أيضاً، وعلى ذلك فلابد أن يكون الاتجاه العام لنمو السلسلة في الإتجاه '5' → '3' لإحدى السلاسلتين بينما المفروض أن يكون النمو للسلسلة المضادة في الإتجاه '3' → '5' إلا أن جميع انزيمات بلمرة DNA (DNA polymerase) المعروفة حتى الآن والتي تشارك في إضافة وحدات النوكليوتايدات يمكنها إضافة ونمو وإستطالة السلسلة في الإتجاه '5' → '3' فقط نظراً لأن التفاعل الكيميائي الذي تساعد فيه هذه الانزيمات يسمح للنيوكليوتيدية الثلاثية الفوسفات للتفاعل فقط مع مجموعة الهيدروكسيل في النهاية 3'OH للسلسلة النامية كما في الشكل ٣٨.

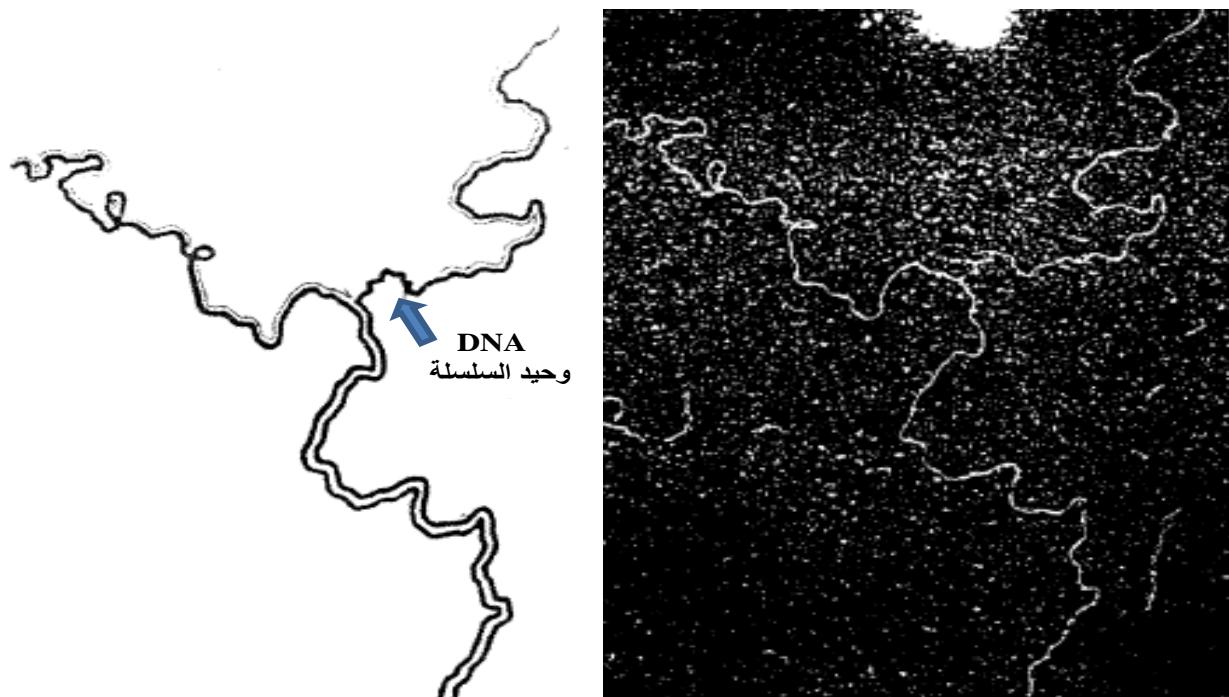


شكل ٣٨: إضافة ونمو وإستطالة السلسلة في الإتجاه '5' → '3'

ولحل هذه المشكلة، تمكّن أوكازاكي Okazaki عام ١٩٦٩ من اكتشاف قطع قصيرة متقطعة من DNA يتم بناؤها في الإتجاه '5' → '3' على الخيط القالب المضاد لاتجاه البناء الطبيعي للسلسلة. وقد توصل إلى ذلك بعد تعریضه بكتيريا القولون للثایمیدین المشع ³H-Thymidine لمدة ثوانی قليلة

حيث ظهرت له قطع من DNA قصيرة بطول حوالي ١٠٠٠ - ٢٠٠٠ نيوكليتيد معلمة بالأشعاع، سميت هذه القطع القصيرة شظايا أوکازاکي Okazaki fragments نسبة إلى مكتشفها (تكون طول هذه الشظايا في خلايا الكائنات الحقيقة النواة بطول ٢٠٠ نيوكليتيد فقط وقد يكون لذلك علاقة بطول شريط الدNA (المختلف حول النيوكليوسوم) توصل هذه القطع القصيرة ببعضها بفعل إنزيم لحام DNA ligase)

وقد تأكّد الآن أن شظايا أوکازاکي عبارة عن نواتج أولية لاحدي السلاسلتين فقط وهي التي تأخذ الإتجاه '3'←'5 والتي تسمى السلسلة المتأخرة (lagging strand). أما السلسلة ذات الإتجاه '5'←'3 والتي تسمى بالسلسلة القائد (leading strand) فإنها تبني أو يتم تناسخها على شكل خيط مستمر وغير متقطع من البداية. وهي لذلك تكون عادة أسرع في معدل بنائها وتسبق في ذلك السلسلة المتقطعة مما أدى إلى تسمية هذا السلسلة بالسلسلة القائد (leading strand) في حين سمي الخيط المتقطع بالسلسلة المتأخرة (lagging strand). يؤدي الفرق في سرعة البناء بين الخيطين إلى ظهور منطقة صغيرة من DNA الأبوى في صورة أحاديق السلسلة عند شوكة التناسخ (لاحظ الشكل ٣٩) ثم تصبح مزدوجة السلسلة عند بدء شظايا أوکازاکي في الظهور والتي يستمر بناؤها حتى تصل إلى نهاية الشظية السابقة لها والتي لا تثبت أن تلتحم بها. يبدأ بناء شظايا أوکازاکي عند نقط محددة على طول قالب السلسلة البطيئة وتحدد المسافة بين هذه النقاط بمتوسط طول شظايا أوکازاکي المكونة أثناء تناسخ جزيء معين من DNA.



الشكل ٣٩ : يؤدي اختلاف سرعة الحركة بين السلسلة القائد (leading strand) و السلسلة المتأخرة (lagging strand) إلى ظهور منطقة صغيرة وحيدة السلسلة في جزيء DNA الأبوى عند شوكة التناسخ.

آلية عمل الجين :Gene Mechanism

الآن يأتي السؤال الهام وهو كيف يمكن لعلماء البيولوجيا الجزيئية فهم كيفية عمل الجينات؟ لذا يستخدم مهندسو الوراثة تقنية سميت **استبدال الجين المستهدف** أو **استهداف الجين Gene targeting** وفيه يتم استحداث طفرة في جين معين واستبداله بالجين السوي داخل احدى الخلايا الجذعية المشتقة من الجنين (Embryo-derived stem cells) من اجنه الفرمان ثم ادخالها في خلايا جنين الفأر فتكون لذلك اجنة **معطلة الجين المستهدف Knockedout gene** فإذا ادى ذلك إلى احداث تشوه في مخ الفأر كان ذلك دليلا على مسؤولية هذا الجين عن تكوين المخ. **ولقد أصبحت تقنية الاستهداف الجيني تقنية مثيرة وهامة عندما استخدمت في مشروع الجينوم البشري لكشف أسرار الجينات المسؤولة عن الامراض الوراثية** حيث أن دراسة تسلسل النكليوتايدات للجين لا يفسر وظيفته في حياة الكائن الحي.

على أيه حال تبدأ التقنية بعزل الجين المراد دراسة وظيفته من الخلايا المشتقة من الجنين-Embryo (ES) derived stem cells. ثم يحور ذلك الجين لانتاج **جين طافر** ثم يتم استبداله بالجين السوي ويتم الاستبدال **بعد اجراء بعض الخطوات المهمة** لضمان عملية الاستبدال بالجين السوي ويكون ذلك عن طريق إيلاج جزء (جين) آخر معه **مقاوم للنيومايسين neo r** (neo r), وتكون بالإضافة في وسط الجين وذلك لتسهيل امر العثور عن الخلايا التي تم الإيلاج فيها ويسمى هذا الجزء من الجين **بالواسم الموجب**، كما يضاف للجين جزء آخر يسمى **جين الثايميدين كاينيز Tk** (Thymidine kinase) ويعتبر واسم ثانوي ويعرف **بالواسم السلبي** حيث ان هذا الجين يسبب حساسية للخلايا الحاضنة له ضد المضاد الحيوي **الكانسيكلوفير Ganciclovir**. وبعد تصميم الجين الطافر هذا يتم **تحميله على ناقل مناسب** مثل **بلازميد القولون** حيث يتم ادخال الناقل إلى خلايا جنين الفأر الجذعية (ES) فيقوم بلازميد الناقل إما:

١- بنقل الجين الطافر بدلا من الجين السوي (المستهدف) على كروموسوم من كروموسومات خلايا الفأر الجينية وفي هذه الحالة سوف يتم استبدال الجين السوي بجين مشابه مع احتوائه على الجزء الخاص بجين neo r في منتصفه دون الجزء الخاص بال Tk وذلك لأن انزيم القطع المحدد سوف يتعرف على الجين المستهدف فقط بمعنى معرفة تسلسل البداية والنهاية له فقط.

٢- أو بنقل الجين المستهدف بطريقة عشوائية ويتم نقل الجين الطافر كله أي بالواسمة الثانية والخاصة بال-Tk.

٣- أو لا يتم الإيلاج أصلا في الخلايا.

ولعزل الخلايا التي تحمل الطفرة المستهدفة يتم وضع الخلايا كلها في وسط يحتوي على عقارين أحدهما **مضاد النيوميسين** المعروف باسم G418 والثاني مضاد **الكانسيكلوفير** فيقوم المضاد الاول بقتل الخلايا التي لا تحتوي على الجين الطافر فيقضي على الخلايا التي لم يحدث لها انتقال للجين المستهدف (الحالة الثالثة) أما العقار الثاني فهو مميت للخلايا التي انتقل إليها الجين الطافر عشوائياً والحاوي على القطعة الثانية الخاصة بالجين Tk والمسببة للحساسية للمضاد الحيوي الثاني (الحالة الثانية). وعليه يتم الحصول على الخلايا المطلوبة (الحالة الأولى) والتي هندست وراثياً.

إذا كانت مأخوذة من فار **بني اللون**، يتم إيلاج تلك الخلايا داخل خلايا جنينية وهي في طور الكيسية **الأريمية** (blastocyst) لأنثى فار **أسود اللون** ثم ننقل الخلايا الجنينية إلى رحم أم بديلة حيث تنمو وتكون النسل (شكل ٤٠). وتفحص الفتران للحصول على الفار المحتوي على ظلال بنية ممزوجة **باللون الاسود** لتشير تلك الصفة على أنه الفار المطلوب والحاوي على خلايا ES المهندسة وتعرف تلك الفتران بالفتران الكيميرية (**الخلطة**) Chimeras، وبعد ذلك يتم تزاوج الذكور الكيميرية

References

1. Kary B. Mullis. 1990. The Unusual Origin of the Polymerase Chain Reaction. 262(4): 56-65.
2. Kenshi Hayashi, Kary B. Mullis, François Ferré, Richard A. Gibbs. 1994. The Polymerase Chain Reaction Birkhäuser Basel. P, 464.
3. Zahra M Alkhafaji and Hassan M Abu-Almaali. 2013. PCRing and Primer Design. University of Baghdad, Baghdad. P, 304.
4. Mahmood M. Refaat and Saad B. Aloutabi. 2008. Introduction to Biotechnology. The General Egyptian Association of International Books and Documents, Cairo. P, 312
5. Elsahookie, M.M., and Ayoob O. Alfalahi. 2008. Polyploidy and its relationship with plant breeding and adaptation. The Iraqi J. Agric. Sci. 39(6):49-71.
6. Elsahookie, M.M., and Ayoob O. Alfalahi. 2008. TILLING: Modern technique combines traditional mutagenesis and functional genomics. The Iraqi J. Agric. Sci. 40(1):1-25.