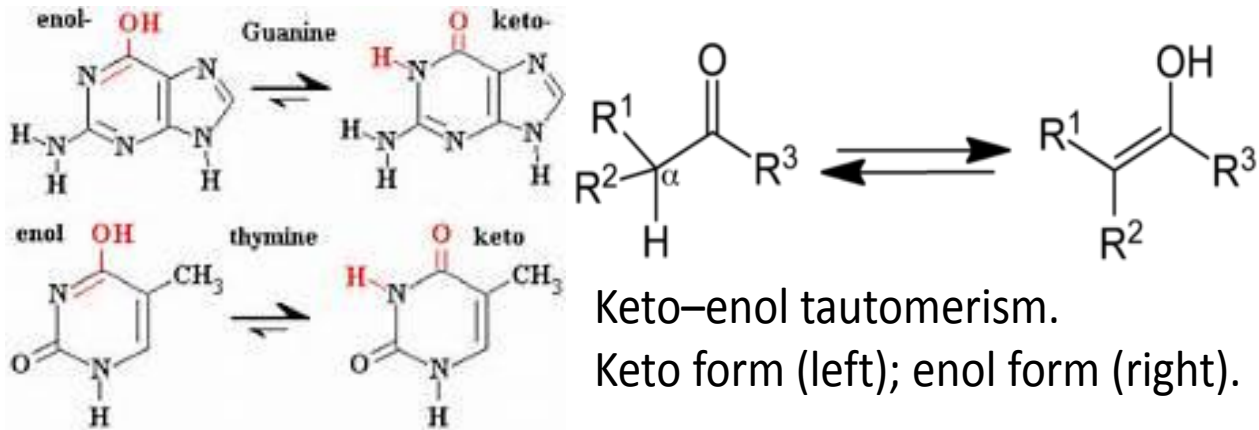
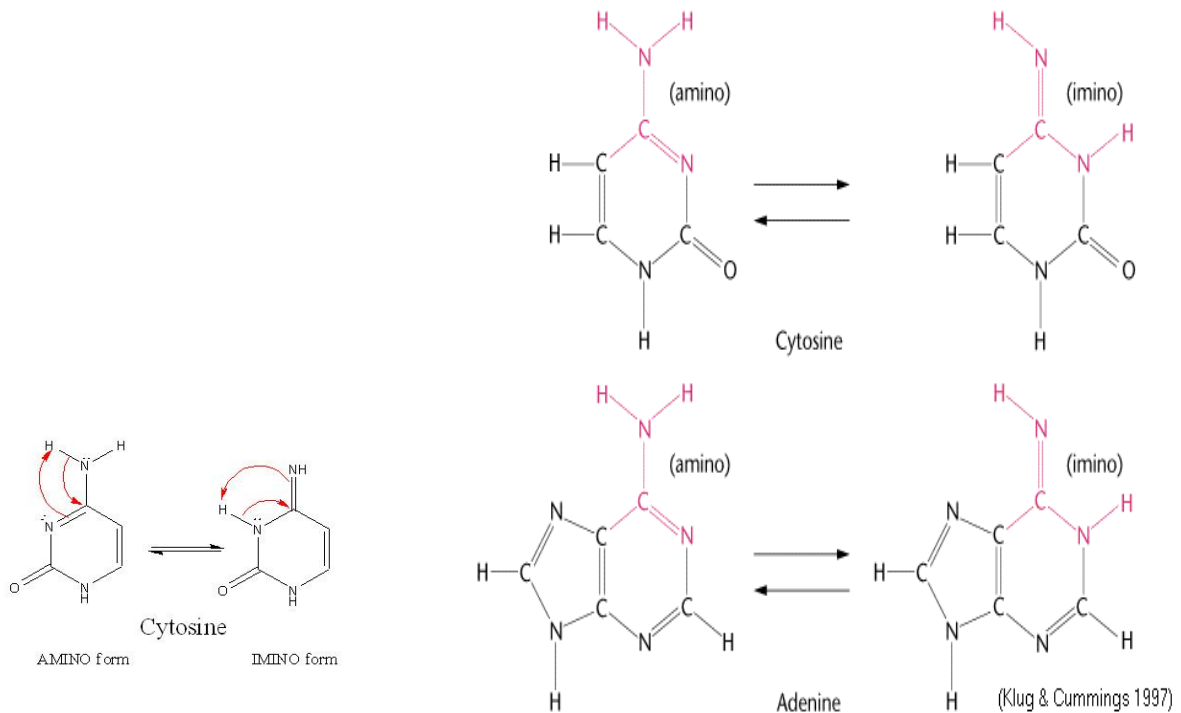


في الحالة الطبيعية تتواجد بنظام الكيتو **Keto** وفي الحالات النادرة بنظام الإينول **Enol** (شكل 44)، بينما السايروسين والادينين في حالة **الأمينو Amino** وفي الحالات النادرة في حالة **الإمينو Imino**، حيث من المتوقع ان تبقى الحالات النادرة لأقل فترة زمنية ممكنة في صورة النظام المشابه **Tautomeric shifts**. ولكن في حالة وجود الشكل النادر اثناء فترة التناسخ سيؤدي إلى ظهور الاختلاف في تزاوج القواعد، A ممكن ان يتحد مع C و T ممكن ان يتحد مع G وما يتبعه من انعزال القواعد ذات الازدواج الخاطيء، وقد يكون الإستبدال على مستوى نوع القواعد بأن يكون T بدل A و C بدل G كنتيجة للإحلال الخطأ.



شكل A 44: شكل يوضح الكيتو والإينول



شكل B 44: شكل يوضح **الأمينو** و**الإمينو** للسايروسين والادينين

هناك عدة تأثيرات تنتج من طفرة الاستبدال ويمكن تقسيمها على أساس تأثيرها على النحو التالي:

١ - الطفرة الساكنة

٢ - طفرات القراءة خاطئة

٣ - طفرة ايقاف الترجمة

١. **الطفرة الساكنة:** طفرة استبدال قاعدة لينتج شفرة لنفس الحامض الأميني وتعرف بالطفرة

الساكنة **silent mutation**. حيث تحدث على مستوى القاعدة الثالثة للشفرة دون أي تأثير

على ترجمة الحامض الأميني :

...GGG...                      ...GGT...

...CCC...                      ...CCA...

Pro

pro

٢. **طفرات القراءة الخاطئة:** طفرة استبدال قاعدة لينتج استنساخ شفرة حامض أميني إلى

شفرة حامض أميني آخر وتعرف بالقراءة الخاطئة **missense** (Faux sens). وتكون مرادفة أو غير مرادفة.

(a) **طفرات خاطئة غير مرادفة (non synonyme missense):**

هي التغيير في قاعدة واحدة في مستوى الشفرة (الثلاثية) بحيث يؤدي إلى تغيير في الحامض الأميني. ويكون هذا الأخير **مختلف كيميائيا** (حامضية، قاعدية، متعادلة) عن الحامض الأميني الأصلي :

...CTC...                      ...TTC...

...GAG...

AAG

Glu

Lys

تحدث هذه الطفرة بصفة عامة في إحدى القاعدتين الأولى أو الثانية من الشفرة الثلاثية ، واحتمال حدوثها في القاعدة الثالثة ضعيف جدا لأن أغلب الأحماض الأمينية لها أكثر من شفرة ثلاثية تختلف فقط في القاعدة الثالثة.

(b) **طفرات خاطئة مرادفة (synonyme missense):**

يحدث استبدال شفرة ثلاثية لحامض أميني بشفرة أخرى لحامض أميني آخر من نفس المجموعة الكيميائية (حامضية، قاعدية، متعادلة):

...TTT...                      ...TCT...

AAA

AGA

Lys

Arg

الحامضين الأمينيين (Lys, Arg) من مجموعة الأحماض الأمينية القاعدية.

٣. **طفرة ايقاف الترجمة:** طفرة استبدال قاعدة لينتج ظهور طفرة ايقاف الترجمة

translation stop codon بتحويل شفرة الحامض الأميني إلى شفرة ايقاف الاستنساخ

ويطلق عليها **الطفرة عديمة المعنى nonsense**.

...ACG...

...ACT...

...UGC... UGA  
Cys stop

كما ويمكن تقسيم طفرات الاستبدال على اساس طبيعة الطفرة الى:

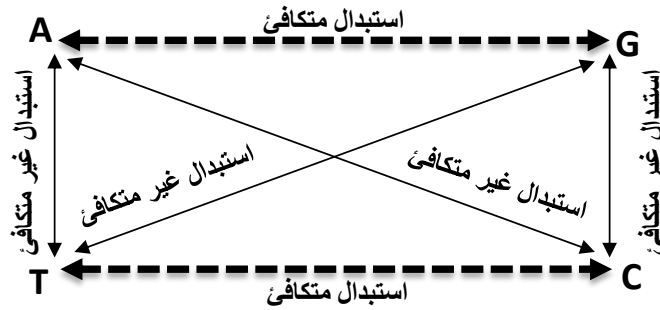
- ١- الإستبدال المتكافئ Transitions.
- ٢- الإستبدال غير المتكافئ Transversions.

١. الاستبدال المتكافئ:

إذ يتم استبدال قاعدة نيتروجينية بيورينية أو بيريميديية بقاعدة أخرى من نفس النوع مكافئة لها كميائيا حيث تبقى نسبة أنماط القواعد (بيورينية وبييميديية) ثابتة داخل خيط DNA .

٢. الاستبدال غير المتكافئ:

وفيه تستبدل قاعدة بيورينية بقاعدة بيريميديية أو العكس كما في الشكل 43، مما يؤدي إلى إختلال في نسبة أنماط القواعد داخل DNA، بالإضافة إلى ذلك تحدث معظم الاستبدالات غير المتكافئة تراوجات خاطئة تذل كثيرا بتركيب وتجانس الحلزون المزدوج لـ DNA . وعلى كل حال يوجد عدد قليل من المواد المطفرة تسبب هذه الاستبدالات.



الشكل ٤٣: الاستبدال المتكافئ وغير متكافئ بين قواعد DNA.

**ثانيا:- طفرة إضافة أو فقد قاعدة واحدة او شفرة كاملة  
(طفرة تغير الإطار Frame shift mutations)**

يمثل هذا النوع من الطفرات نسبة كبيرة جداً من الطفرات التلقائية، حيث ينتج عن هذا النوع إضافة أو فقد قاعدة واحدة insertion or deletion one base بحيث يؤدي ذلك إلى تغيير في التتابع العام للأطار الجيني مما يترتب عليه اختلاف البروتين الناتج (شكل ٤٦، ٢)، ويمكن تقسيم تأثير أنواع طفرات تغير الإطار عن طريق :-

- طفرة فقد قاعدة ينتج استنساخ شفرة حامض أميني إلى شفرة حامض أميني آخر وتعرف بالقراءة الخاطئة missense.
- طفرات ايقاف الترجمة translation stop codon بتحويل شفرة الحامض الأميني إلى شفرة ايقاف الاستنساخ nonsense.
- طفرة فقد شفرة كاملة مما ينتج عنه فقد لحامض اميني كامل في السلسلة الببتايدية (البروتين).

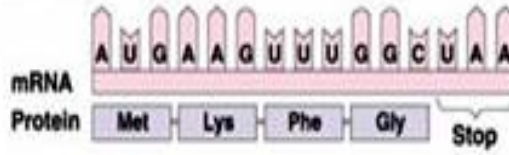
## إضافة أو فقد قاعدة

## استبدال قاعدة

القراءة الخاطئة الكبير المسبب لتغير الإطار

لا تأثير على تتابع الأحماض الأمينية

### WILDTYPE



### BASE-PAIR INSERTION OR DELETION

Frameshift causing extensive missense



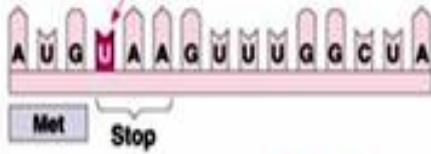
### BASE-PAIR SUBSTITUTION

No effect on amino acid sequence



### Frameshift causing immediate nonsense

طفرة تغير الإطار تسبب إيقاف الترجمة

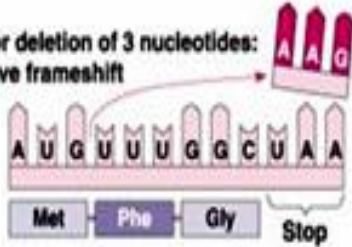


### Missense القراءة الخاطئة

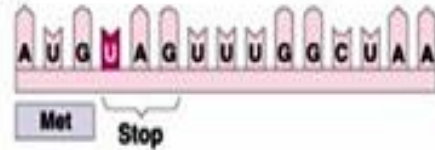


### Insertion or deletion of 3 nucleotides: no extensive frameshift

إضافة أو فقد لثلاث قواعد: لا يحصل تغير الإطار كبير



### Nonsense إيقاف النسخ



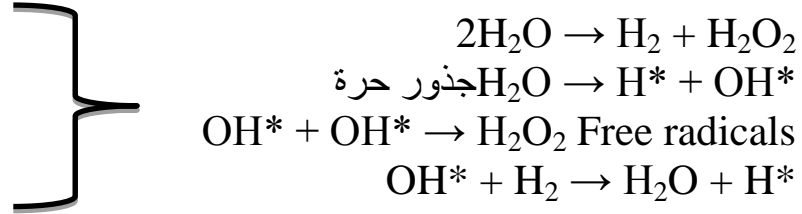
شكل ٤٦ يوضح تأثير الأستبدال أو الأحلال (١) وتأثير النقص أو الإضافة (شفرة تغيير الإطار) (٢)

### العوامل المطفرة:-

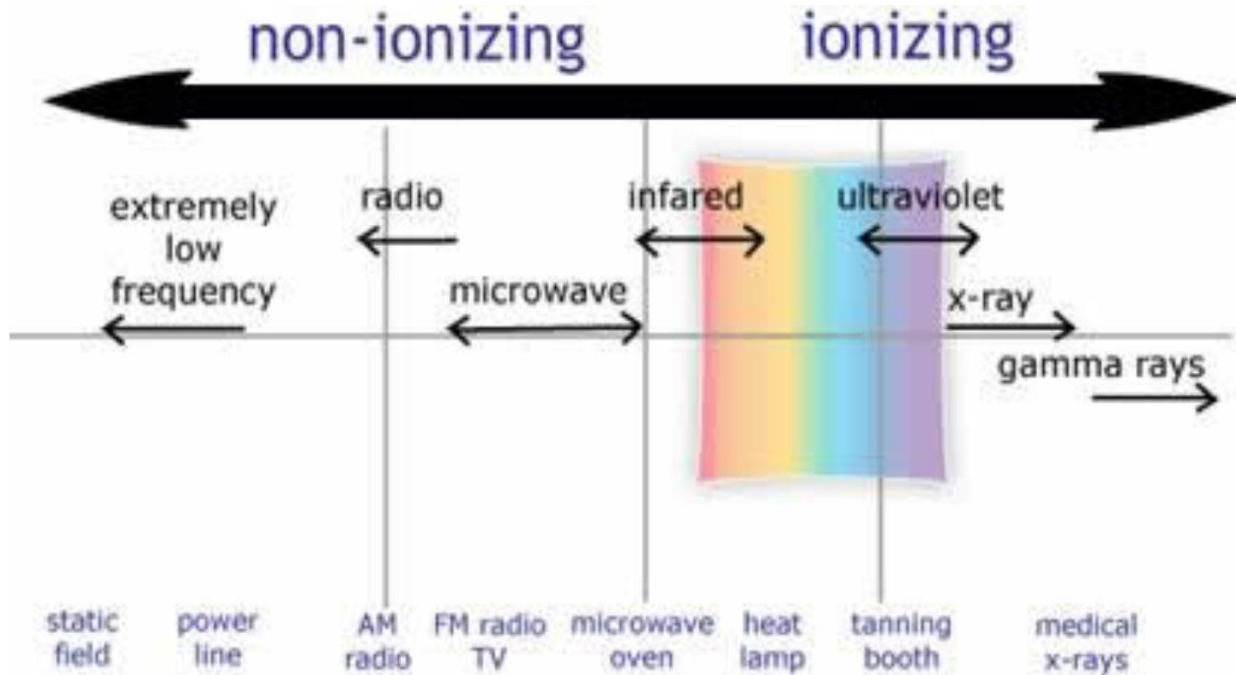
أولاً: العوامل الفيزيائية:- يمكن تقسيم جزء من الطيف الكهرومغناطيسي المتضمن طول موجات أقصر وذات طاقة أكبر من الضوء المرئي وتشمل :

(a) أشعة إكس وأشعة كَما والأشعة الكونية:- وهي إشعاعات مؤينة Ionizing radiations وتكون ذات طاقة عالية جداً، بحيث تمكنها من إختراق الأنسجة الحية فتؤثر على بعض جزيئات DNA وتؤدي إلى تغير في بنائها الكيميائي ويمكن ان تُحدث أنواعاً مختلفة من التغيرات الكبيرة في تركيب الكروموسوم (الشذوذ الكروموسومية) والتي تنتج من حدوث كسور في الكروموسومات. ان للأشعة المؤينة تأثير بايولوجي مباشر أو غير مباشر، ويقصد بالتأثير المباشر هو الضرر الذي يلحق بالجزيئات المهمة بايولوجياً في الخلية الحية والتي تتأين مباشرة أو تصبح بحالة متهيجة وقد تؤدي إلى تلف جزيئات الحامض النووي والجزيئات الكبيرة في السائتوبلازم، أما التأثير غير المباشر للإشعاع يؤدي إلى ضرر لجزيئات الخلية بفعل الجذور الحرة (الجذور الطليقة Free

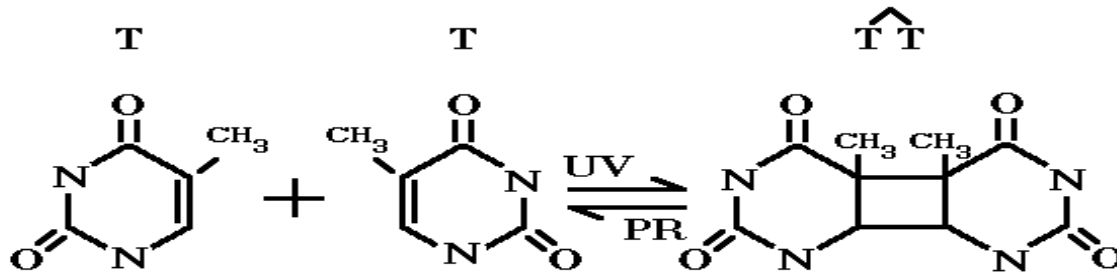
**radicals** والتي تنشأ من تأين الجزيئات ولاسيما جزيئات الماء فهذا يؤدي إلى نشوء أيونات مختلفة مثل  $H_2O$ ,  $H^*$ ,  $OH^*$ ,  $H_2^*$ ,  $H_3O$ ,  $H_2O_2$  والتي تتفاعل مع نواة الخلية والسيتوبلازم وتؤدي إلى تفكك الرابطة الكيميائية لذرات الكربون بسهولة فجرة صغيرة من الأشعة المؤينة تؤدي إلى حدوث تغيرات في DNA وقد تؤدي إلى تلف DNA أو حصول تغيرات أو ضرر بالغ في بنية الكروموسوم.



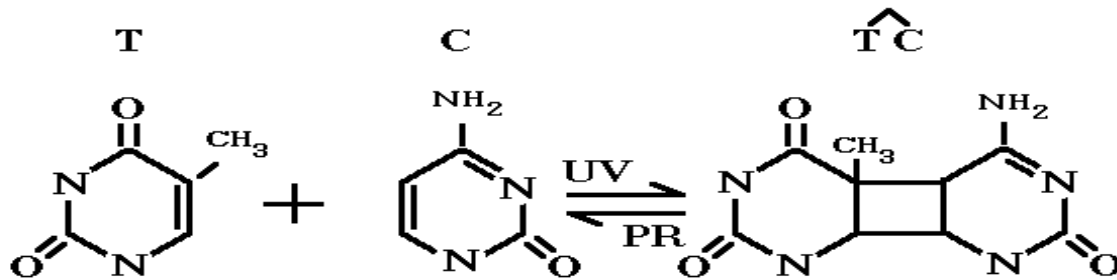
(b) الأشعة فوق البنفسجية: هي موجة كهرومغناطيسية ذات طول موجي أقصر من الضوء المرئي لكنها أطول من الأشعة السينية سميت بفوق البنفسجية لأن طول موجة اللون البنفسجي هو الأقصر بين ألوان الطيف (شكل ٤٧). وطول موجتها يبدأ من ٤٠٠ نانومتر إلى ١٠ نانومتر. ولا تحتوي هذه الأشعة على طاقة تمكنها من إختراق الأنسجة الحية بحيث تؤدي إلى التأين، إلا إنها تمتص بواسطة القواعد الموجودة في الأنسجة السطحية لجسم الكائن الحي (عديدة الخلايا)، وينتج عن إمتصاص الإشعة نشاط القواعد مؤديا إلى تكون **Dimers** (ارتباط بين جزيئات الثايمين المتجاورة على نفس الشريط)، وبالتالي لا تستطيع قواعد الثايمين تكوين أواصر هيدروجينية مع الأدينين وبالتالي يختل ترتيب أو تنظيم الخيط الحلزوني، وأكثرها شيوعاً ثنائيات الثايمين (شكل ٤٨) وثنائيات الثايمين السيتوسين (شكل ٤٩).



شكل ٤٧ اجزاء الطيف الكهرومغناطيسي من أشعة إكس وأشعة غاما والأشعة الكونية الأشعة فوق البنفسجية.



شكل ٤٨ يوضح كيفية تكون ثنائيات الثايمين



شكل ٤٩ يوضح كيفية تكون ثنائيات الثايمين والسيتوسين

### ثانياً:- العوامل الكيميائية:-

هناك العديد من المواد الكيميائية لها القدرة على إحداث طفرات وراثية، ففي السنوات الأخيرة تم اكتشاف العشرات من تلك المواد التي لها القدرة على إحداث تغيرات وراثية اذا ما تعرضت لها الخلية أو النسيج أو الكائن الحي وبتراكيز محددة ولفترة معينة من الزمن تؤدي المطفرات الكيميائية إلى زيادة هائلة في معدل حدوث الطفرات، مما يعني إنها تتدخل بطريقة مباشرة في مسارات تناسخ المادة الوراثية، وقد تعمل بطريقة مباشرة على جزئ المادة الوراثية مما يؤدي إلى ظهور طفرة تغير الإطار أو طفرات الاستبدال (الإحلال). ومن الأمثلة على هذه المطفرات الكيميائية غاز الخردل وحامض النتروز  $\text{HNO}_2$  وهيدروكسيل الأمين  $\text{NH}_2\text{OH}$  والعوامل الاكيلية Alkylating agents حيث تتفاعل هذه المواد مع مقاطع معينة من المادة الوراثية ضمن الكروموسوم مسببة تغييراً في بنائه الوراثي، وقد يكون تأثير هذه المواد الكيميائية المطفرة أخطر من الأشعة المؤينة وذلك لقدرتها على النفاذ إلى داخل النواة والتفاعل مع المادة الوراثية فيها. كما ان هناك مواد كيميائية لها صيغة تركيبية تشبه بعض القواعد النايتروجينية تدعى **مشابهات القواعد Base analogs**. أن هذه المواد تختلف عن القواعد النايتروجينية الاعتيادية كونها تستطيع أن تزيد من احتمال حصول أخطاء

تزاوجية في حالة توفرها في الخلية أثناء مرحلة استنساخ (تضاعف) DNA وقد تؤدي إلى حصول تغيرات كروموسومية ومن أهم مشابهاة القواعد:-

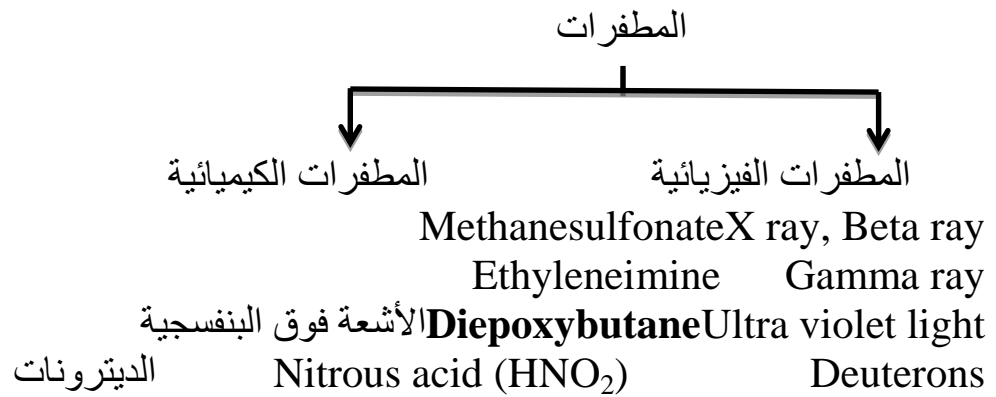
- ❖ ٥- بروموديوكسي يوراسيل (5-bromodeoxyuracil) الذي يشبه الثايمين Thymine.
- ❖ ٢- أمينوبورين (2-aminopurine) الذي يشبه الأدينين.

ويمكن تقسم المطفرات الكيميائية إلى قسمين:-

١- المواد التي تعمل كمادة مطفرة على المادة الوراثية سواء كان متناسخاً أو غير متناسخ ومنها المواد الألكيلية وحامض النتروز.

٢- المواد التي تعمل على المادة الوراثية في حالته المتناسخة (المتضاعفة) فقط ومنها صبغات الأكردين التي ترتبط بالمادة الوراثية أثناء التناسخ مؤدية إلى حدوث أخطاء أثناء عملية التناسخ، ومشابهاة القواعد (Base analogs) المشابهة للقواعد العادية حيث تحل محل القواعد العادية أثناء التناسخ فيظهر تأثيرها باحداث طفرة معينة.

والشكل التالي يبين أهم المطفرات الفيزيائية والكيميائية المعروفة:-



### ميكانيكيات إصلاح المادة الوراثية DNA Repair Mechanisms:

يعتبر تعدد ميكانيكيات الإصلاح في الكائنات الحية من الفيروسات وحتى الإنسان مؤشراً لأهمية حفظ الطفرات في كل من الخلايا الجسمية والجنسية على مستوى معتدل، ومن طرق إصلاح أضرار المادة الوراثية المحتوي على ثنائيات الثايمين التي تم دراستها في بكتيريا القولون هي :

#### ١- الإصلاح بالتفاعل التنشيطي الضوئي Repair photo reactivation

يتضمن وجود إنزيم يقوم بكسر أو بشق ثنائيات الثايمين مباشرة دون استبعاد أي من النكليوتيدات المجاورة، هذا الإنزيم يعرف بأسم إنزيم الفوتوليز Photolyse والذي يعمل على وصل ثنائيات الثايمين في الظلام ولكنه لا يستطيع أن يحدث كسر للروابط في ثنائيات الثايمين بدون وجود طاقة ضوئية خاصة الضوء المحتوي على الطيف الأزرق، حيث ينشط الإنزيم ويساعد على حدوث تفاعل ضوئي كيميائي مؤدياً إلى كسر الرابطة بين الثنائيات ( ثنائيات الثايمين ، ثنائيات السايروسين وثنائيات السايروسين - الثايمين) (شكل ٥٠ أ).

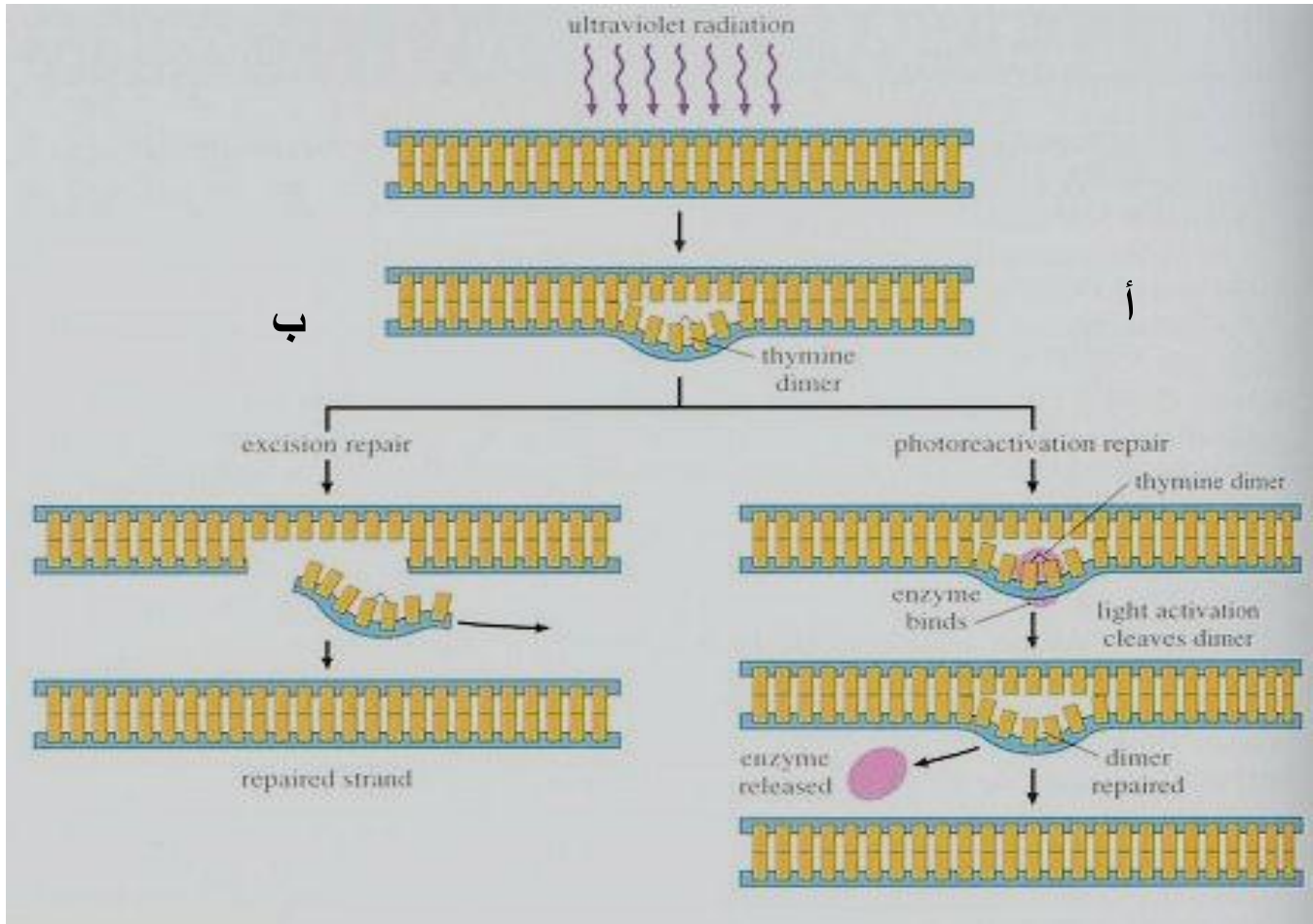
#### ٢- الإصلاح الاستنصالي أو بالإزالة Excision repair

يتضمن عمل الاستئصال باستبعاد ثنائيات الثايمين من جزئ المادة الوراثية وإنتاج قطعة جديدة، وتتم عملية الاصلاح بوجود إنزيمات هي:-

- (١) إندونوكليز Endonuclease
- (٢) وإكسونوكليز Exonuclease
- (٣) DNA polymerasnuclease II
- (٤) Ligase

حيث تتم الخطوة الأولى بحدوث فصل بواسطة انزيم endonuclease بعد التوصل لموقع ثنائيات الثايمين فيكسر الأنزيم رابطة الفوسفو ثنائية الايستر في العمود الفقري لخيط المادة الوراثية، ثم يأتي دور انزيم exonuclease حيث يعمل على استبعاد قطعة مجاورة على جانبي الثنائيات بعد ذلك يعمل انزيم DNA polymerasnuclease II بسد الفجوة المتكونه باستخدام الخيط المكمل كقالب (شكل ٥٠ ب). بعد الانتهاء من سد الفجوة يعمل انزيم ligase على لحم الخيط بتكوين رابطة الفوسفوداي استر.

وقد تم التأكد من كون نشاط هذا الأنزيم (DNA polymerasnuclease II) لسد الفجوة هو ماتم ملاحظته في الخلايا الطافرة للجين المسئول عن تكوين DNA polymerase II حيث وجد ان كفاءتها في الاصلاح بالاستئصال تكون منخفضة جدا مما يؤكد دور هذا الأنزيم في عملية الاصلاح لملئ الفجوات الصغيرة، ولم يكن لأنزيم بلمرة DNA polymerase III دور نظرا لكبر حجمه ولضرورة ان يظل مرتبطا بشوكة التناسخ النامية لفترة طويلة.



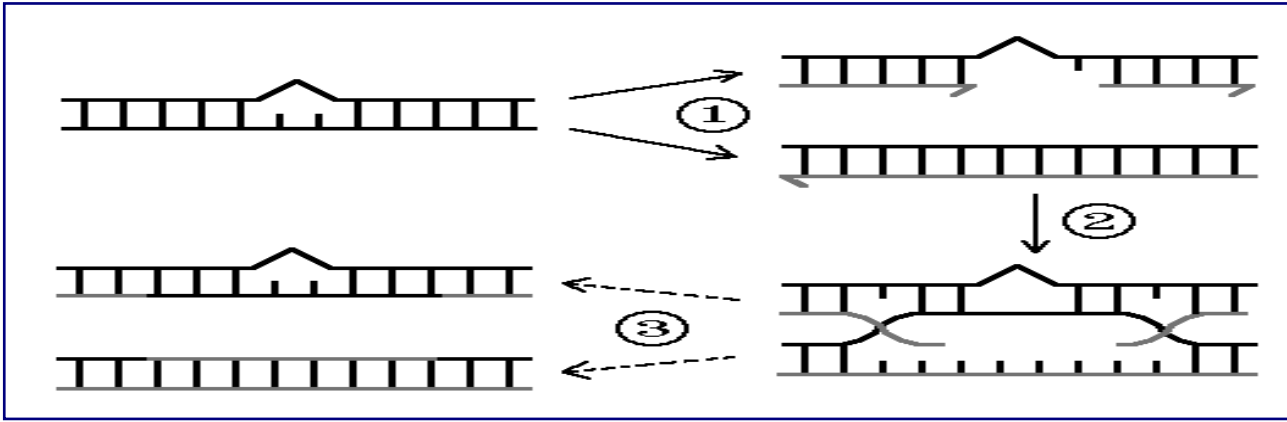


شكل ٥٠: يوضح الإصلاح بالتنشيط الضوئي ( أ ) والإصلاح الإستتصالي (ب)

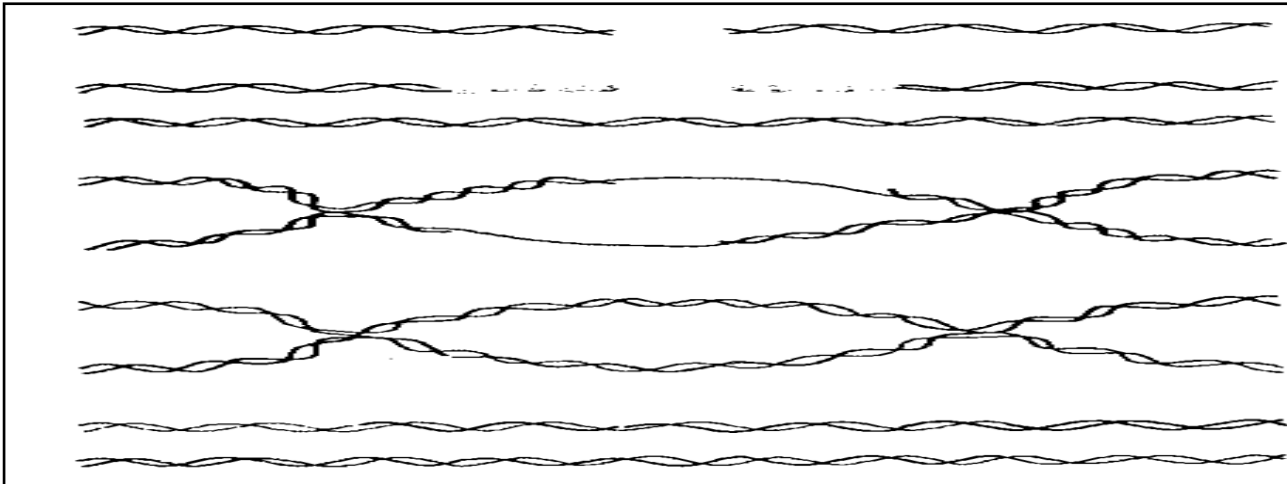
### ٣- إصلاح الإتحادات الجديدة Recombinational repair

قد يحدث تكون لثنائيات الثايمين، أو كسر مستعرض يشمل السلسلتين وما يصاحب الكسر من فقد جزء من الحلزون المزدوج نهائياً، فوجد ان جميع المعلومات الأصلية والمكملة قد فقدت في مكان التلف، ولا يمكن إسترجاعها إلا عن طريق البحث عن جزء آخر مناظر في جزيء المادة الوراثية منفصل في الخلية نفسها ولكن متطابق مع الجزء التالف، يسمى هذا النوع بالإصلاح الآلي لعملية الإتحادات الجديدة، وقد يحدث التلف في سلسلة مفردة، فيتم الإصلاح من السلسلة المكملة عند مرور شوكة التناسخ. ، وقد يحدث التلف لكلا السلسلتين في منطقة غير متناسخة فيلجأ للكروموسوم النظير

مثال : في بكتريا القولون وجد ان العنصر الأساسي في عملية التصحيح بالاتحادات الجديدة عبارة عن انزيم يقوم بأعادة الإتحاد annealing بين تتابعات كل من جانبي المنطقة التالفة والمنطقة المكملة لها في الجزيء السليم ، حيث يتم النشاط الإنزيمي عن طريق بروتين Rec A protein



شكل ٥١: يوضح كيف يتم تناسخ المادة الوراثية في حالة تكون ثنائي الثايمين اثناء فترة التناسخ واستخدام الكروماتيدة الشقيقة كقالب لإصلاح الخلل



شكل ٥٢: يوضح كيف يتم معالجة الكسر في الخيط المزدوج للمادة الوراثية واستخدام الكروموسوم النظير كقالب لإصلاح الخلل بسد الفجوات الناتجة عن الكسر المستعرض، والذي ينتج عنه وبحسب نوع وموقع الارتباط إما ارتباط بدون عبور Non-crossing over حيث يتم استخدام الخيط السليم في الكروموسوم النظير كقالب ومن ثم انسحاب كل خيط للكروموسوم الأصلي، أو ارتباط وعبور crossing over وبعد الإنتهاء من سد الفجوات يتم كسر لجزء الخيط السليم وإعادة ارتباطه بخيط المادة الوراثية في الكروموسوم النظير وكذلك بالنسبة للخيط الآخر.

## References

1. Kary B. Mullis. 1990. The Unusual Origin of the Polymerase Chain Reaction. 262(4): 56-65.
2. Kenshi Hayashi, Kary B. Mullis, François Ferré, Richard A. Gibbs. 1994. The Polymerase Chain Reaction Birkhäuser Basel. P, 464.
3. Zahra M Alkhafaji and Hassan M Abu-Almaali. 2013. PCRing and Primer Design. University of Baghdad, Baghdad. P, 304.
4. Mahmood M. Refaat and Saad B. Aloutabi. 2008. Introduction to Biotechnology. The General Egyptian Association of International Books and Documents, Cairo. P, 312
5. Elsahookie, M.M., and Ayoob O. Alfalahi. 2008. Polyploidy and its relationship with plant breeding and adaptation. The Iraqi J. Agric. Sci. 39(6):49-71.
6. Elsahookie, M.M., and Ayoob O. Alfalahi. 2008. TILLING: Modern technique combines traditional mutagenesis and functional genomics. The Iraqi J. Agric. Sci. 40(1):1-25.