

الموروث هو تتابع النيوكليوتيدات بنظام معين ضمن الكروموسوم والذي سوف يحدد تتابع تكوين الأحماض الأمينية في جزيئة البروتين. ولكي تؤدي المورثات نشاطها وعملها لا بد من نشاط يتم خلاله تحويل المعلومات الوراثية المخزونة في المورث الى بروتين داخل الخلية، وهذه العملية تدعى بالتعبير الجيني **Gene expression**، والتي تنجز خلال مرحلتين أساسيتين هما :

اولا - عملية الاستنساخ **Transcription**:

في الكائنات ذات النواة الحقيقية تبقى الجينات الكروموسومية التي تحتوي على DNA في النواة بينما تصنع البروتينات في السيتوبلازم لذلك لا يستطيع الـ DNA ان يعمل مباشرة كقالب التصنيع البروتين وعوضاً عن ذلك يستعمل احد اشربة الـ DNA الذي يدعى بالشريط الحساس **seins sastrand** كقالب لتصنيع شريط مكمل من الـ RNA والذي اطلقنا عليه اسم المرسل تسمى بالاستنساخ **Transcription** ان الشريط المستنسخ (الحساس) لاثنين من الجينات المختلفة، وفي الجينات المتجاورة لا يكون دائما نفس الشريط ، وعلى كل حال يستنسخ احد الأشربة فقط في جين معين ، بعد ذلك يقوم المرسل بنقل المعلومات الوراثية من موقع تصنيعها في النواة الى موقع تصنيع البروتين في الرايبوسومات الواقعة في السيتوبلازم.

و يمكن تلخيص الية الاستنساخ بالشكل الآتي :

- 1 . يقوم انزيم **Helicase** بفك التواء الشريط DNA جزئياً.
- 2- يرتبط انزيم بلمرة الـ **RNA Polymerase** بأحد اشربة الـ DNA الذي يدعى بالشريط الحساس.
- 3- تبدأ عملية بناء الـ mRNA بواسطة انزيم **RNA Polymerase** وذلك من خلال اضافة القواعد النيتروجينية على طول احد سلاسل الـ DNA (شريط الحساس)
- 4- كلما انفك سلسلة الـ DNA يقوم انزيم بلمرة **RNA Polymerase** بالإضافة ويستمر الانزيم بالبناء
- الـ mRNA على طول الـ DNA (الأساسية) في الاتجاه من 3 ← 5
- 5- يتم يصنع الـ mRNA في الاتجاه من 5 ← 3
- 6- عند بناء الـ mRNA يحل اليوراسيل محل الثايمين
- 7- يتم انتاج الـ mRNA وتتوقف عملية البناء عند وصول الانزيم البلمرة الى شفرات التوقف .
- 8- ينفصل انزيم بلمرة الـ RNA عن الـ DNA .

(م. ٤)

محاضرات التقنيات الاحيائية
د. محمد عبد الغفور محمد
كلية الزراعة/ جامعة الانبار

9- تلتحم سلسلتي DNA مع بعض ومن ثم خروج جزيئة الـ mRNA من النواة الى السيتوبلازم عبر الثقوب النووية .

وهناك فرق بين mRNA قبل خروجه من النواة وبعدها يتم معالجته بعملية تدعى splicing

mRNA الأولي (غير المعالج) ويطلق عليه immature mRNA

١- له نفس طول 2 DNA - يحوي شفرة DNA كلها (جميع تسلسل القواعد) . mRNA النهائي

(المعالج قبل خروجه من النواه) ويطلق عليه mature mRNA

١- يتم التخلص من الأنترونات (intron) : المناطق الغير مشفرة والموجودة على DNA

٢- تبقي عليه الإكسونات (Exon) : المناطق المشفرة وهي القطع الفعالة

٣ - إضافة غلاف (Cap) واقى على النهاية ٥ من mRNA (يساعد على تعرف الريبوسومات) ٣ -

إضافة ذيل (tail) مكون من نيوكليوتيدات الأدينين على النهاية ٣ من mRNA

ثانياً : الترجمة Translation:

عملية الترجمة وهي العملية التي تترجم من خلالها المعلومات الوراثية (المخزونة في متواليات النيوكليوتيدات في جزيئة المرسال) بعد املاء الشفرة الوراثية الى متواليات من الأحماض الامينية في السلسلة البروتينية .

ويشترك في عملية الترجمة ثلاث انواع من الـ RNA وجميعها يستنسخ من الـ DNA ومنها :

١ - الـ mRNA وهي الجزيئة الحاملة للمعلومة الوراثية الخاصة ببناء البروتين ستصبح جاهزة للترجمة بعد اكتمال استنساخها واجراء بعض تحورات عليها كما هو الحال في الخلايا حقيقية النواة و التي ذكرت سابقاً في مرحلة الاستنساخ.

٢ - الـ tRNA وهذه الجزيئات ستتوسط عملة الترجمة عبر التعرف على الشفرة على جزيئة الكودونات الموجودة على الـ mRNA من خلال موقع يقع tRNA يحتوي على ما يعرف بالشفرة المضادة (anticodon) وتحتوي اي خلية على عدة أنواع الناقل tRNA يتراوح عددها ما بين ٤٠ - ٦٠ نوعاً.

(م. ٤)

محاضرات التقنيات الاحيائية
د. محمد عبد الغفور محمد
كلية الزراعة/ جامعة الانبار

٣- rRNA : وهي تراكيب جزيئات كبيرة معقدة وتقع في السيتوبلازم تعمل كمنصة لتصنيع السلسلة البروتينية.

وتشتمل عملية تخليق البروتين على ثلاثة خطوات هي :

أ - بدء عملية الترجمة (قراءة الشفرة وترجمتها لبناء بروتين) .

ب - استطالة سلسلة عديد الببتيد Elongation of the polypeptide chain (تفاعل بناء البروتين)

ج - إنهاء تكوين سلسلة عديد الببتيد Termination of polypeptide (إنهاء بناء البروتين) .

الخطوة الأولى (أ) : بدء عملية الترجمة ترتبط تحت وحدة ريبوسوم صغيرة بجزئ m RNA الذي أول كودون به هو AUG ويكون متجهها ١ - إلى أعلى . ٢ ء تتزاوج قواعد مضاد الكولون لجزئ tRNA الخاص بالميثيونين مع كونون AUG وبذلك يصبح الحمض الأميني ميثيونين Methionine أول حمض أميني في سلسلة عديد الببتيد التي تبني ٣ - ترتبط وحدة ريبوسوم كبيرة بالمركب السابق ليكون كودون البدء AUG أو أول جز tRNA في موقع الببتيد (p) . ملاحظة : يوجد على واحدة الريبوسوم الكبيرة موقعان يمكن أن ترتبط بهما جزيئات tRNA - الموقع الأول (P) : يطلق عليه موقع الببتيد Peptidy . - الموقع الآخر (A) : يطلق عليه أمينو اسيل Amino – aeyl

(ب) : استطالة سلسلة عديد الببتيد أو تفاعل بناء البروتين:

١ - يرتبط مضاد كودون tRNA الثاني بالكودون التالي على جزئ m RNA في الموقع A لوحدة الريبوسوم الكبيرة وبالتالي يصبح الحمض الأميني الذي يحمله هذا tRNA هو الحمض الأميني التالي في سلسلة عديد الببتيد.

٢ - يحدث تفاعل نقل الببتيد Peptidyl transferase reaction الذي ينتج عنه اتكوين رابطة ببتيدية بين الحمض الأميني الأول والثاني - والإنزيم الذي ينشط هذا التفاعل عبارة عن جزء من تحت وحدة الريبوسوم الكبيرة ، ونتيجة لذلك يتحرر الحمض الأميني الأول ويصبح tRNA الأول فارغاً ويترك الريبوسوم وقد يلتقط ميثيونيناً آخر أما tRNA الثاني فيحمل الحمضين الأمينيين معا.

٣ - يتحرك الريبوسوم على امتداد mRNA ، وهذه العملية تأتي بـ tRNA الثاني إلى الموقع P على الريبوسوم ويصبح A فارغاً ثم تبدأ الدورة مرة أخرى حيث يرتبط مضاد كودون ثالث على tRNA مناسب يكونون

(م. ٤)

محاضرات التقنيات الاحيائية
د. محمد عبد الغفور محمد
كلية الزراعة/ جامعة الانبار

mRNA جالياً الحمض الأميني الثالث إلى الموضع المناسب على الموقع ، وترتبط سلسلة عديد البيبتيد النامية بالحمض الأميني الجديد القادم على هذا الجزء من tRNA الثالث ، ثم يتكرر التتابع.

الخطوة الثالثة (ج) : إنهاء تكوين سلسلة عديد البيبتيد عندما يصل الريبوسوم إلى كودون وقف على mRNA فإن عامل الاطلاق Release factor يرتبط بكودون الوقف مما يجعل الريبوسوم يترك mRNA حيث تنفصل وحدتا الريبوسوم عن بعضهما البعض وتقف عملية بناء البروتين .

قد يكون الحامض الأميني أكثر من شفرة . كذلك يوجد شفرة لبدء البروتين هو AUG هناك UGA - UAA ثلاثة شفرة التوقف بناء البروتين هي (UAG) ويلاحظ أن الشفرة الوراثية عامة : واحدة بمعنى أن الشفرات التي تدل على الأحماض الأمينية في الفيروسات والبكتيريا والفطريات والنبات والحيوان.

الشفرة الوراثية Genetic Code

هي مجموعة من الكودونات ويتكون كل كودون من تتابع من ثلاث قواعد نتروجينية متتابعة على جزئي mRNA الرسول والتي تشفر لتكوين حمض أميني واحد ، ويشفر كل كودون لحمض أميني واحد و هناك ٦٤ كودون ممكن و ٢٠ حمض اميني (جدول ١) ويكون ترتيب تتابع الكودونات بنظام معين في الجين هو المحدد لتتابع الأحماض الأمينية المكونة لنوع البروتين المراد بنائه حيث يتكون البروتين من مجموعة من الأحماض الأمينية المحددة.

جدول الشفرة الوراثية

		Second Letter												3rd letter				
		U			C			A			G							
1st letter	U	UUU Phe	UCU Ser	UAU Tyr	UGU Cys	UUA Leu	UCC Ser	UAC Stop	UGC Stop	UUG Leu	UCA Ser	UAA Stop	UGA Stop	UAG Stop	UGG Trp	U		
	C	CUU Leu	CCU Pro	CAU His	CGU Arg	CUC Leu	CCC Pro	CAC His	CGC Arg	CUA Leu	CCA Pro	CAA Gln	CGA Arg	CUG Leu	CCG Pro	CAG Gln	C	
	A	AUU Ile	ACU Thr	AAU Asn	AGU Ser	AUC Ile	ACC Thr	AAC Asn	AGC Ser	AUA Ile	ACA Thr	AAA Lys	AGA Arg	AUG Met	ACG Thr	AAG Lys	AGG Arg	A
	G	GUU Val	GCU Ala	GAU Asp	GGU Gly	GUC Val	GCC Ala	GAC Asp	GGC Gly	GUA Val	GCA Ala	GAA Glu	GGA Gly	GUG Val	GCG Ala	GAG Glu	GGG Gly	G